

Initiation à la programmation impérative avec Python

Avertissement au lecteur :

Ce polycopié ne contient pas toutes les explications détaillées qui ont été données en cours. En particulier tous les développements systématiques des exemples, expliquant comment le langage Python effectuerait les traitements, sont absents de ces notes. On trouvera également parfois quelques simples allusions à des concepts élémentaires, largement développés en cours mais qui deviennent routiniers en TD.

G. Bernot

Ce plan n'est que prévisionnel et est soumis à changements

COURS 1

1. L'art de programmer
2. Comment fonctionne un ordinateur, dans les grandes lignes
3. Quelques unités de capacité d'information
4. Les langages de programmation
5. Un exemple en Python

COURS 2

1. Les structures de données
2. Les booléens
3. Les entiers relatifs
4. Les nombres réels
5. Les chaînes de caractères
6. Opération de substitution de chaînes de caractères
7. Des conversions de type (cast)

COURS 3

1. Les expressions conditionnelles
2. Les définitions de fonctions
3. Les définitions de procédures
4. Variables locales et variables globales
5. Compléments sur les chaînes de caractères, et `while`
6. Parcours de chaîne de caractères avec `for`

COURS 4

1. Les listes
2. Instructions de modification de liste
3. Particularités des modifications de liste en Python
4. Exemples de programmes sur les listes

COURS 5

1. La programmation structurée

COURS 6

1. Les dictionnaires
2. Exemples de programmes sur les dictionnaires

COURS 7

1. Compléments mineurs mais utiles sur le type `str`
2. Lecture de fichiers

COURS 8

1. Quelques méthodes utiles de lecture de fichiers
2. Écriture de fichiers

COURS 9

1. Les modules en Python
2. Gestion du système de fichiers avec le module `os`

1 Domaines et métiers de la bio-informatique

L'objectif de ce cours de *Programmation en langage de script* est d'apprendre les bases de la programmation. Ce qui motive cet enseignement dans une formation de génie biologique est qu'à l'heure actuelle aucun cadre scientifique, quelle que soit sa discipline de base, ne peut prétendre être un *ingénieur* s'il ne connaît pas les principes de la programmation. À l'issue de ce cours, vous saurez programmer en Python. Python est le langage de programmation le plus utilisé par les biologistes. Il faut cependant être conscient que les principes de programmation sont les mêmes pour la plupart des langages de programmation. Ainsi, à la sortie de ce cours, vous serez en fait capables de programmer avec presque n'importe quel langage de programmation, pourvu que vous ayez sous la main un petit résumé des mots-clés de ce langage.

Ce cours de programmation n'est pas un cours de bio-informatique. La bio-informatique est une activité où la biologie et l'expérimentation sont à la base de la *prédiction* de propriétés biologiques. Si la programmation entre en jeu en bio-informatique, c'est uniquement de manière annexe parce que les données et des connaissances manipulées sont d'un volume tel que leur gestion requiert un ordinateur. Ce qui fait un bon ingénieur en bio-informatique n'est pas la programmation ; c'est un *mode de raisonnement* adapté au vivant pour produire de bonnes prédictions et cela suppose une bonne compréhension des protocoles expérimentaux aussi bien *in vivo* que *in vitro* et *in silico*.

Pour éviter la confusion fréquente entre la programmation et la bio-informatique, il semble utile de commenter comment la bio-informatique intervient dans tous les domaines de la biologie. La programmation ne sera donc abordée qu'à partir du prochain cours.

1.1 Domaines de la biologie (panels ERC)

(ERC = European Research Council)

- *Biologie moléculaire et cellulaire* (biologie structurale, signalisation, métabolisme, cycles divers, apoptose...) : la bio-informatique permet d'assembler et annoter les séquences biologiques, elle prédit la structure de repliement des bio-molécules à partir de connaissances sur les séquences, sur l'énergie de repliements élémentaires, *etc.* Elle établit des modèles d'interactions et d'échanges de signaux entre entités biologiques, propose des comportements dynamiques possibles, inventorie les comportements stables, *etc.*
- *Génomique fonctionnelle* (omics, génétique, épigénétique, réseaux...) : la bio-informatique classe les mesures acquises, évalue leur qualité, en déduit des profils d'expression, la pertinence de certaines interactions putatives, prédit la ou les fonction(s) d'un gène ou d'un réseau génétique, optimise les stratégies expérimentales en fonction des objectifs, *etc.*
- *Organes et physiologie* (systèmes, métabolisme et pathologies, infection et immunité, vieillissement...) : la bio-informatique fournit des cadres méthodologiques pour étudier les systèmes biologiques complexes, établit des lois comportementales prédictives, offre des simulations crédibles, limite les expérimentations animales, assiste l'analyse d'images, *etc.*
- *Neurosciences* (neuro..., imagerie, cerveau...) : la bio-informatique met en place des modèles mathématiques explicatifs, prédit certains comportements, gère des simulations *in silico*, analyse les mesures, reconstruit la structure spatiale, *etc.*
- *Populations* (évolution, phylogénie, écologie, écotoxicologie, environnement, santé...) : la bio-informatique organise les données, en extrait des connaissances, classe, établit des graphes de phylogénie, simule les individus pour prédire des phénomènes collectifs émergents, établit des normes de sécurité, prédit les effets d'une perturbation, *etc.*
- *Médecine santé* (pharmacologie, diagnostic, informatique médicale) : la bio-informatique met en place des systèmes experts, établit des modèles prédictifs de comportement, permet le criblage de molécules, organise et stocke les informations médicales, les exploite pour extraire des connaissances, *etc.*

1.2 Domaines pertinents de l'informatique dans le cadre de la biologie

La bio-informatique exploite presque tous les domaines de l'informatique.

- *Algorithmique* (comment gérer une question reposant sur beaucoup de données en entrée pour la résoudre vite) : par exemple pour le traitement des séquences génomiques, la classification, *etc.*
- *Systèmes d'information* (gestion des bases de données et des interfaces pour les exploiter) : gestion de toutes les données omics, représentation des grands réseaux biologiques, mémorisation des protocoles expérimentaux, suivis divers, patients, gestion de bibliographie, traçabilité, *etc.*

- *Intelligence artificielle* (méthodes heuristiques pour résoudre la plupart du temps des questions hors de portée d’une machine) : extraction de connaissances, classification, diagnostic, pharmacovigilance, *etc.*
- *Modélisation et simulation* (créer des modèles mathématiques ou virtuels d’objets réels, raisonner automatiquement dessus ou les simuler) : biologie des systèmes, biologie intégrative, réseaux biologiques, embryologie 3D, reconstruction d’organes, cellules virtuelles, *etc.*

1.3 Domaines de l’ingénierie biologique (panels ERC)

Les domaines d’activité des ingénieurs bio-informaticiens couvrent tous les domaines du génie biologique car tous ont une composante bio-informatique. Pour reprendre la classification ERC, on peut citer :

- *Biotechnologies* : bioréacteurs, « niches » des startups, puces à ADN, *etc.*
- *Pharmacologie* : drug design, cosmétique, toxicologie, sécurité, *etc.*
- *Environnement, écologie* : développement durable, toxicologie, sécurité, *etc.*
- *Agro-alimentaire* : OGM, sécurité, toxicologie, *etc.*
- *Biologie de synthèse* : biocarburants, diagnostiques, antibiotiques, *etc.*
- *Recherche* en biologie : publique ou privée.

... Et il faut aussi mentionner l’*informatique classique*, en raison de la forte pénurie d’informaticiens diplômés, en France et dans le monde, qui rend les DRH du secteur informatique avides de scientifiques ayant touché de près ou de loin à l’informatique.

1.4 Métiers d’ingénieurs bio-informaticiens

Tout ce qu’un informaticien non biologiste ne saura jamais faire :

- *Maître d’ouvrage de projets multi-disciplinaires, chef de projet* : de nombreux projets de biologie moderne font appel à toutes les autres disciplines scientifiques (physique, chimie, robotique, informatique, mathématique) voire aux sciences humaines (droit, éthique). Pour mener à bien de tels projets, les entreprises ont besoin de maîtres d’ouvrage rompus à la communication entre biologie et autres sciences. La bio-informatique est le lieu où sont formés ces ingénieurs, habitués à la cette communication pluri-disciplinaire.
- *Responsable de service bio-informatique* : une part importante du métier est de participer à des réunions de direction où les besoins informatiques ne sont abordés que sous l’angle des utilisateurs biologistes ou commerciaux, d’y faire comprendre ce que l’informatique peut apporter dans ces problématiques, de traduire les besoins de l’entreprise pharmacologique, de dégager ce qu’il est possible ou non de faire, d’assurer la qualité des produits logiciels. Le responsable de service bio-informatique est capable de diriger des « informaticiens pur jus » et assurer l’utilité pour la biologie des projets développés.
- *Architecte et administrateur de systèmes d’information* : partant du savoir-faire et des données spécifiques d’une entreprise en pharmacologie, seul un ingénieur pluri-disciplinaire peut dégager les informations pertinentes, les structurer, les regrouper pour faciliter l’extraction de connaissances et finalement définir l’architecture adéquate du système d’information scientifique de l’entreprise.
- *Responsable de conception et réalisation web, multi-média* : seul un bio-informaticien peut séparer judicieusement l’intranet de l’extranet de telle sorte que les informations passées à l’extérieur prouve la compétence de l’entreprise mais ne permettent pas à une autre entreprise de s’approprier cette compétence. Il s’agit de concevoir un site web attractif tout en assurant la confidentialité.
- *Chef de projet de calcul intensif* (fermes de calcul, simulations, extraction de connaissances, ...) : demandez à un ingénieur non biologiste d’extraire des connaissances ou des prédictions à partir de données biologiques, et après un usage intensif de puissances de calcul énormes, les résultats que vous obtiendrez seront, au mieux, des évidences pour un biologiste. Seul un bio-informaticien peut identifier les approximations pertinentes d’un point de vue biologique qui rendront les calculs incommensurablement plus efficaces et les résultats valorisables.
- *Responsable d’un service de biostatistiques* : les statistiques reposent d’abord sur le choix des indicateurs mesurés, la compréhension critique des protocoles expérimentaux est donc un préalable à toute démarche bio-statistique. De plus, il est bien connu que sans un œil critique lors de l’interprétation des résultats, on peut faire dire ce que l’on veut aux statistiques. La connaissance du contexte biologique est donc indispensable au professionnel.
- *Architecte et administrateur systèmes et réseaux* : dans des entreprises ou laboratoires de petite et moyenne importance, la taille du parc informatique ne nécessite pas d’employer un informaticien pour gérer les systèmes et réseaux. Cette tâche incombe alors aux bio-informaticiens de l’entreprise. Il s’agit d’assurer d’une part la sécurité des données, leur confidentialité, de protéger le réseau d’entreprise contre les attaques malveillantes, assurer un rôle de conseil... Cette activité est beaucoup moins complexe qu’il n’y paraît (un cours de 15h permet d’en acquérir les principes de base).
- *Responsable de la robotisation* (protocole, bases de données, images...) : des activités comme le screening font un large usage de robots. Leur pilotage inclut la gestion de la bibliothèque des produits utilisés par le robot, les

protocoles définissant les actions successives du robot, l'analyse des résultats en série, *etc.* Cette activité nécessite une parfaite coordination avec les expérimentateurs et là encore seuls les biologistes de formation peuvent mettre en place ces protocoles expérimentaux d'une manière cohérente avec les objectifs biologiques.

- *Consultant pluridisciplinaire* : après quelques années d'expérience dans l'un (ou plusieurs) des métiers qui précèdent, les ingénieurs qui souhaitent acquérir une plus grande indépendance de travail peuvent devenir consultants. La pénurie de ressources humaines dans les métiers proches de l'informatique laisse nécessairement une place à cette activité de consultance. Par ailleurs certaines PMI ou PME peuvent aussi faire appel à des consultants pour les aider à définir et/ou externaliser leurs besoins en bio-informatique.
- *Métiers de la recherche* : La plupart des laboratoires en biologie, qu'ils soient publics ou privés, ont identifié la bio-informatique comme un point clef de leur développement. D'une part, les gros laboratoires se munissent tous d'un service de bio-informatique généralement dirigé par un ingénieur de recherche, et d'autre part, le besoin d'une équipe de recherche de bio-informatique ouvre de nombreux postes à des jeunes diplômés possédant un doctorat.

Les notes de cours et les feuilles de TD sont disponibles (avec un peu de retard par rapport au déroulement du cours) à l'adresse web suivante :

http://www.i3s.unice.fr/~bernot/Enseignement/GB3_Python1/

1 L'art de programmer

Utiliser un langage de programmation pour faire enchaîner à l'ordinateur, rapidement, des opérations sur des données n'est pas très difficile. Cependant, avec un style de programmation approximatif, on peut vite écrire des programmes incompréhensibles. Ce cours a pour objectif de vous apprendre à écrire des programmes *propres*, sans « bidouillages », et tellement logiquement écrits qu'on pourra les modifier plus tard, quand on aura même oublié comment ils marchent : en programmation, tout est dans le *style* et l'*élégance*...

On va utiliser le langage *Python* comme support mais le choix du langage n'est pas très important car avec les méthodes de programmation « dans les règles de l'art » acquise dans ce cours, il sera facile de passer d'un langage à un autre. Les concepts de base d'une programmation bien menée sont les mêmes dans tous les langages.

2 Comment fonctionne un ordinateur, dans les grandes lignes

Avant d'apprendre les premiers éléments de programmation, cette partie du cours a pour objectif de démystifier les ordinateurs, de vous donner les principaux critères utiles qui font la qualité d'un ordinateur... un vendeur lambda ne pourra plus vous bluffer avec des termes techniques inutiles :-).

2.1 Le processeur et la mémoire

Le cœur d'un ordinateur est son *processeur* : c'est une sorte de « centrale de manipulations » qui effectue des transformations électriques rapides, correspondant à diverses manipulations de *symboles* codés par des « signaux électriques ». Il travaille de concert avec une *mémoire* qui alimente le processeur en *données* et en *instructions* à réaliser : sur le fond, la mémoire d'ordinateur stocke simplement une longue suite de symboles qui peuvent représenter aussi bien des données que des instructions.

L'élément de base des codages sus-mentionnés est l'information binaire : « le courant peut passer » ou au contraire « le courant ne peut pas passer ». Cette information minimale est appelée un *bit*. Un bit peut donc prendre deux valeurs, 0 ou 1, et est matériellement réalisé par un genre de transistor largement miniaturisé.

Un symbole est codé par une séquence de bits. Ainsi avec seulement 2 bits on peut déjà encoder 4 symboles différents.

Par exemple on pourrait décider que 00 code « A », symbole pour l'Adénine, que 01 code « T », symbole de la Thymine, que 10 code « G », symbole de la Guanine, et que 11 code « C », symbole de la Cytosine.

Avec 3 bits, on peut encoder 8 symboles différents (4 commençant par le bit 0 et 4 commençant par le bit 1), *etc.* En pratique, on compte les volumes d'information en *octets*. Un octet (« byte » en anglais) est formé de 8 bits et peut donc encoder $2^8 = 256$ symboles différents. Le code le plus utilisé est le code ASCII, qui encode sur un octet (presque) toutes les lettres (majuscules, minuscules), les ponctuations, l'espace, des caractères dits de contrôle, *etc.* Pour encoder les lettres accentuées et les lettres spécifiques à certaines langues, il faut faire appel à un autre code qui peut utiliser 2 octets pour ces lettres particulières ; le plus courant est le code UTF8.

L'électronique n'a aucune difficulté à manipuler les bits : éteindre un bit, l'allumer, inverser sa valeur, tester sa valeur... Il existe ainsi un ensemble (limité) d'*instructions* qui manipulent les bits (souvent par groupes de 8 bits donc par octet, ou même par groupes de plusieurs octets). Chaque instruction est elle-même codée par une séquence de bits, exactement comme les symboles.

Les instructions successives à effectuer sont placées en des endroits déterminés de la mémoire et sont lues les unes après les autres, ce qui conduit à enchaîner des commandes et finalement à faire des transformations aussi complexes que l'on veut de la mémoire. La mémoire sert donc à la fois à stocker le programme des instructions successives à effectuer et à stocker les données que ce programme manipule. Pour ce faire le processeur possède une zone dans laquelle il note la place de la mémoire où se trouve la prochaine instruction à effectuer, une zone dans laquelle il a recopié l'instruction en cours, et quelques zones qui servent de la même façon à manipuler les données. Ces zones sont appelées des registres.

Maintenant que l'on a vu comment transitent les instructions successives à effectuer dans le processeur, parlons des données : il ne servirait à rien de faire tant de manipulations si elles ne sortaient jamais des registres du processeur. Pour cela il y a des instructions de stockage des registres du processeur vers la mémoire, et pour alimenter le processeur en données, il existe inversement des instructions de chargement des données qui peuvent copier n'importe quel emplacement de la mémoire vers les registres de données. Ainsi les suites d'instructions commencent souvent par charger certaines places de la mémoire dans les registres, puis font divers transformations de ces symboles, et enfin stockent de nouveau en mémoire les résultats présents dans les registres.

2.2 Les périphériques

Ainsi, on voit que si l'on conçoit un programme judicieux d'instructions successives, on peut modifier à volonté l'état de la mémoire pour lui faire stocker des résultats de manipulations de symboles, aussi complexes et sophistiquées que l'on veut. La question qui se pose maintenant est d'exploiter cette mémoire en la montrant à l'extérieur sous une forme compréhensible pour l'Homme, ou réexploitable ultérieurement. C'est le rôles des *périphériques* :

- Avec ce que l'on a vu jusqu'à maintenant, s'il y a une coupure de courant alors tout est perdu car les « mini-transistors » ne conservent pas leur état (0 ou 1) sans courant. Donc certains périphériques sont des mémoires « de masse » comme les disques durs, les disquettes, les CDrom, DVDrom, Blu-ray *etc.* ou certaines mémoires « flash » (=clefs USB) ayant une durée raisonnable de conservation des données.
- Il faut également pouvoir intervenir et entrer les données et les ordres dans l'ordinateur par exemple *via* un clavier, une souris, une manette de jeu, des instruments de mesure, *etc.* Ces périphériques « d'entrées » agissent en modifiant certaines parties de mémoires (indiquant les touches enfoncées, les déplacements de souris ou de doigts sur un écran tactile, *etc.*) et les programmes qui gèrent le système informatique « surveillent » tout simplement régulièrement ces mémoires particulières.
- Accéder aux résultats et les visualiser est également nécessaire ; l'ordinateur doit pouvoir montrer à l'utilisateur les résultats des manipulations symboliques par exemple *via* une carte graphique et un écran, une imprimante ou divers appareillages de réalité virtuelle... De la même façon le rôle de ces périphériques « de sortie » (comme la carte graphique) est simplement de transcrire (par exemple en pixels de couleur) le contenu de « sa » zone de mémoire ; zone de mémoire que les programmes peuvent naturellement modifier à volonté.
- Plus généralement, entrées et sorties combinées donnent lieu à des périphériques « de communication » qui permettent non seulement de communiquer avec l'Homme mais aussi avec d'autres ordinateurs par exemple *via* des réseaux.

3 Quelques unités de capacité d'information

- Un *bit* est une valeur logique (vrai/faux codé en 0/1).
- Un *octet* (en anglais : byte) est une suite de 8 bits ; il permet de coder par exemple des entiers de 0 à 255, ou des caractères, ou des instructions comme déjà mentionné.
- Un *Ko* se prononce un *kilo-octet* (en anglais : Kb, Kilo-byte) ; c'est une suite de 1024 octets (pas exactement 1000 parce que 1024 est une puissance de 2, ce qui facilite l'adressage sur ordinateur).
- Un *Mo* se prononce *Méga-octet* (en anglais : Mb, Mega-byte) ; c'est une suite de 1024 Ko.
- Un *Go* se prononce *Giga-octet* (en anglais : Gb, Giga-byte) ; suite de 1024 Mo.
- Un *Tera-octet* est une suite de 1024 Go, puis viennent les *Peta-octet*, *Exa-octet*, *etc.*

Actuellement les valeurs significatives lorsque vous achetez un ordinateur sont :

- La vitesse à laquelle se succèdent les opérations élémentaires faites par le ou les processeurs de l'ordinateur : de 1 à 5 Giga-opérations par seconde. Il s'agit donc d'une *fréquence* exprimée en Hertz (2GHz).
- Le nombre de processeurs mis ensemble, c'est-à-dire combien d'opérations élémentaires se font en même temps : de 1 à 4 (mono-core, dual-core, quad-core).
- La taille de la mémoire : souvent de 1 à 16 Giga-octets.
- La taille du disque dur dans lequel seront stockés vos programmes (applications, outils bureautiques, lecteurs divers, jeux, *etc.*) et vos données (textes, images, musique, films, bases de données, *etc.*) : de 100 Giga-octets à 2 ou 3 Tera-octets.
- La résolution de l'écran : de 800 à 3000 pixels de large et de 700 à 2000 pixels de haut, soit de 600 Kilo-pixels à 6 Méga-pixels environ.

4 Les langages de programmation

Ce qu'on vient de voir sur la structure d'un ordinateur donne déjà des capacités de programmation importantes : il suffit de mettre en mémoire une suite d'instructions à effectuer, et le processeur les chargera et les effectuera les unes après les autres. C'est ce qu'on appelle le *langage machine*. Comme son nom l'indique, c'est un langage très efficace

pour une machine. . . mais il est très indigeste à lire (et à écrire) pour un être humain. Plutôt que d'écrire du langage machine, l'humain préfère écrire des ordres à l'ordinateur dans un langage plus évolué (par exemple Python).

C'est là qu'intervient un raisonnement astucieux :

1. Un programme écrit par un humain en Python est finalement un texte, c'est-à-dire une suite de caractères qui peut donc être stockée dans la mémoire de l'ordinateur.
2. Les programmes en langage machine sont des suites d'instructions qui doivent aussi être stockées en mémoire.
3. Or un programme en langage machine est finalement un processus qui transforme des données en mémoire en d'autres données en mémoire, quelles qu'elles soient. Un programme en langage machine peut donc considérer un programme écrit en Python comme des données, de même qu'il peut considérer un autre programme en langage machine comme des données.
4. *Donc*, si quelques spécialistes se chargent de la corvée d'écrire un programme en langage machine qui transforme :
 - un (texte de) programme en python
 - en une suite d'instructions en langage machine*alors* nous pouvons écrire un texte en Python, laisser le programme des spécialistes en faire un programme en langage machine, et faire tourner le résultat.

Cette technique peut s'appliquer de différentes façons que nous ne détaillerons pas ici. Elle est appelée selon les cas la *compilation* ou l'*interprétation* du langage (ici Python). Ceci permet d'avoir l'impression que c'est le programme écrit en Python qui « tourne » directement sur l'ordinateur.

D'une certaine façon, l'interprétation d'un langage de programmation joue pour l'informatique un rôle inverse de la transcription et la traduction pour la biologie moléculaire : la transcription et la traduction permettent de construire des structures de plus haut niveau à partir du « langage machine » qu'est le génome, alors que l'interprétation produit du langage machine à partir de textes bien structurés.

Grâce à cette technique classique, la notion de *langage de programmation* devient plus large qu'une simple suite d'instructions données à l'ordinateur.

Un langage de programmation est un « vocabulaire » restreint et des règles de formation de « phrases » très strictes pour donner des instructions à un ordinateur. Le *moins* par rapport au français ou aux mathématiques reste malgré tout sa pauvreté, mais le *plus* est qu'aucune « phrase » (= *expression*) n'est ambiguë : il n'existe pas 2 interprétations possibles.

On peut alors :

- regrouper puis abstraire un grand nombre de données élémentaires (nombres, caractères. . .) pour caractériser une *structure de données* abstraite (**protéine** = suite de ses acides aminés *et* ses conformations possibles *et* ses sites actifs en fonction de conditions, *etc*).
- regrouper des suites de commandes élémentaires (additions, multiplications, statistiques, classifications, décisions. . .) pour organiser le *contrôle du programme* et le rendre plus lisible et logique (déterminer si deux protéines ont de l'**affinité** = inventorier les conditions du compartiment qui les contient, calculer la conformation la plus probable, inventorier les sites actifs qui en résultent, comparer deux à deux si un domaine d'une protéine a de l'affinité avec un domaine de l'autre protéine, *etc*).

Donc : ce qui définit les langages de programmation, c'est

- la façon de représenter symboliquement les **structures de données** (e.g. protéine)
- et la façon de gérer le **contrôle** des programmes (e.g. que faire et dans quel ordre pour résoudre une question d'affinité de protéines).

5 Un exemple en Python

On reviendra plus précisément sur chacune des notions utilisées ici. Il s'agit simplement pour l'instant de *voir* à quoi ressemble un programme et son utilisation.

```
>>> borne = 100
>>> def evalue (n) :
...     if n < (borne / 2) :
...         print("petit")
...     elif n < borne :
...         print("moyen")
...     else :
...         print("grand")
...
>>> evalue (70)
moyen
```

```
>>> evaluer (150)
grand
>>> borne = 50
>>> evaluer (70)
grand
```

Selon le système d'exploitation avec lequel on travaille, la présentation peut différer (les « >>> » ou les « ... ») mais en revanche, ce qu'on tape au clavier et les réponses de l'ordinateur sont *toujours* identiques.

- La première ligne « `borne = 100` » est une *affectation* de variable. Elle a pour effet qu'à partir de cette ligne, il est équivalent d'écrire `borne` ou d'écrire `100`. On dit que `borne` est une *variable* et que sa *valeur* est `100`. L'avantage de cette ligne est double :
 - Partout où l'on a utilisé `borne` au lieu de `100`, il sera facile de « changer d'avis » et de considérer que finalement la borne ne vaut que `50`. Il suffit de faire une nouvelle affectation *sans avoir besoin de chercher partout* où se trouvait le nombre `100` et le remplacer par `50`. Toutes les valeurs qui peuvent changer un jour (taux de TVA, mesure de diverses quantités, *etc*) doivent donc être mises dans des variables.
 - Après des affectations de variables, les programmes sont plus lisibles car les noms de variables permettent de leur donner une signification. On peut écrire des programmes compréhensibles où les valeurs sont remplacées par des noms parlants, qui aident à la compréhension. L'idéal serait de pouvoir programmer presque comme en français « si l'entier `n` est plus petit que la moitié de la borne alors il est considéré comme petit, sinon s'il reste plus petit que la borne alors il est moyen, sinon il est grand. »
- Le mot clef `def` ressemble lui aussi à une affectation en ce sens qu'il donne un nom à quelque chose. Il s'agit de donner un nom à un petit programme (`evaluer`) qui fait des manipulations symboliques en fonction d'une valeur qu'on lui donne (`n`). Ici, le nom `evaluer`, chaque fois qu'il sera appelé, lancera les comparaisons du nombre qu'on lui donne entre parenthèses avec la `borne` et/ou sa moitié, et il imprimera à l'écran le résultat qui en découle (`grand`, `moyen` ou `petit`).

La construction `if...elif...else...` n'a rien de difficile :

- `elif...` est une contraction de « else if... »
- juste derrière le « `if` » et avant le « `:` » on écrit la condition qui, si elle est vraie, conduit à effectuer les commandes qui suivent, et si par contre elle est fautive, conduit à effectuer les commandes qui suivent le « `else` ». C'est logique.
- Enfin la commande `print` imprime à l'écran ce qui est écrit entre guillemets.

On dit que la « fonction `evaluer` prend `n` en entrée » ou encore « en argument », pour dire que le résultat que fournit `evaluer` dépend de la valeur « mise à la place de `n` » entre parenthèses. On remarque que ce résultat dépend aussi de `borne`, mais cette fois de manière implicite (c'est-à-dire que `borne` n'est pas un argument de `evaluer`).

Puisqu'un langage de programmation est défini par ses *structures de données* et par son *contrôle*, il suffit de connaître les parties les plus utiles de ces deux aspects en Python pour savoir programmer en Python. Mieux : sur le fond, les principales structures de données et les principales primitives de contrôle *sont les mêmes* pour tous les langages dits impératifs (qui eux-mêmes représentent la quasi-totalité des langages industriels). Les seules variations d'un langage à l'autre sont les choix des mots clefs : par exemple certains langages utilisent « `function` », « `procedure` » ou encore « `let` » au lieu de « `def` ». C'est dire à quel point un cours de programmation peut être universel, sous réserve de ne pas se noyer dans les particularités de détail du langage choisi.

Nous allons commencer par les structures de données les plus simples.

1 Les structures de données

Une structure de données est définie par quatre choses :

1. *Un type* qui est simplement un nom permettant de classer les expressions syntaxiques relevant de cette structure de donnée. Par exemple, "grand", avec ses guillemets autour, est une donnée de type `string` (chaîne de caractères en français) et "petit" et "moyen" sont deux autres données de type `string` elles aussi.
2. *Un ensemble* qui définit avec précision quelles sont les *valeurs pertinentes* de ce type. Par exemple l'ensemble de toutes les suites de caractères, de n'importe quelle longueur, sachant qu'un caractère peut aussi bien être une lettre qu'un chiffre, une ponctuation ou un caractère dit « de contrôle ».
3. *La liste des opérations* que l'ordinateur peut utiliser pour effectuer des « calculs » sur les valeurs précédentes. Cela comprend le nom de l'opération, par exemple `print`, et comment l'utiliser, c'est-à-dire quels *arguments* elle accepte et la nature du résultat. Dans l'exemple précédent, on a vu par exemple que `print` accepte un argument de type `string` (en réalité il en accepte aussi d'autres, on verra ça plus tard) et a pour résultat d'écrire à l'écran cette chaîne de caractère (sans les guillemets).
4. *La sémantique des opérations* c'est-à-dire une description précise du résultat fourni en fonction des arguments.

Il existe en Python une commande `type`, qui prend en argument une valeur ou une variable quelconque et fournit comme résultat le type de cette valeur.

2 Les booléens

Il s'agit d'un ensemble de seulement 2 données pertinentes, dites *valeurs de vérité* : `{True,False}`. Le type est appelé `bool`, du nom de George Boole [1815-1864] : mathématicien anglais qui s'est intéressé aux propriétés algébriques des valeurs de vérité.

Opérations qui travaillent dessus :

<u>Opération</u>	<u>Entrée</u>	<u>Sortie</u>
<code>not</code>	<code>bool</code>	<code>bool</code>
<code>and</code>	<code>bool×bool</code>	<code>bool</code>
<code>or</code>	<code>bool×bool</code>	<code>bool</code>

De manière similaire aux tables de multiplications, on écrit facilement les tables de ces fonctions puisque le type est fini (et petit).

Exemples de calculs sur les booléens :

```
>>> print(True)
True
>>> print(False)
False
>>> print(true)
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
NameError: name 'true' is not defined
>>> print(True and False)
False
>>> type(True)
<type 'bool'>
>>> True and False
False
>>> True and
  File "<stdin>", line 1
    True and
    ^
SyntaxError: invalid syntax
```

Comme on le voit, l'opération `type` écrit bien le type d'une donnée.

3 Les entiers relatifs

Théoriquement le type `int` correspond à l'ensemble \mathbb{Z} des mathématiques. En fait il est borné en Python, avec borne dépendante de la machine, mais assez grande pour ignorer ce fait ici. (`int` comme « integers »).

Les opérations qui travaillent dessus :

Opérations						Entrée	Sortie
+	-	*	//	%	**	<code>int</code> × <code>int</code>	<code>int</code>
==	<	>	<=	>=	!=	<code>int</code> × <code>int</code>	<code>bool</code>

Exemples de calculs sur les entiers :

```
>>> type(46)
<type 'int'>
>>> 5 * 7
35
>>> print(5 * 7)
35
>>> 5 // 2
2
>>> 5 % 2
1
>>> 5 ** 3
125
```

On remarque que la division `//` est *euclidienne* (pas de virgule dans le résultat) et que `%` donne le reste de la division euclidienne.

Pour les comparaisons :

```
>>> 5 < 3
False
>>> 5 == 3 + 2
True
>>> 5 = 3 + 2
File "<stdin>", line 1
SyntaxError: can't assign to literal
>>> 5 <= 5
True
```

Noter la différence entre « `==` » (qui effectue une comparaison et fournit un booléen en résultat) et « `=` » qui est une affectation (et doit avoir un nom de variable à sa gauche et une valeur à sa droite). On remarque aussi que les opérations de calcul `+` `-` `*` `//` `%` `**` sont *prioritaires* sur les opérations de comparaison `==` `<` `>` `<=` `>=` `!=` car sinon « `5 == 3 + 2` » n'aurait pas eu plus de sens que « `False + 2` » (on n'additionne pas un booléen et un entier).

4 Les nombres réels

On les baptisent « les nombres flottants » pour des raisons historiques.

Le type `float` représente l'ensemble des nombres réels, avec cependant une précision limitée par la machine, mais les erreurs seront négligeables dans le cadre de ce cours. Par abus d'approximations on considère donc que `float` correspond à l'ensemble \mathbb{R} .

On dispose des opérations suivantes :

Opérations						Entrée	Sortie
+	-	*	/	**		<code>float</code> × <code>float</code>	<code>float</code>
<code>int</code>						<code>float</code>	<code>int</code>
<code>float</code>						<code>int</code>	<code>float</code>
==	<	>	<=	>=	!=	<code>float</code> × <code>float</code>	<code>bool</code>

Exemples d'utilisation :

```
>>> type(46.8)
```

```

<type 'float'>
>>> 5.0 / 2.0
2.5
>>> 7.5 * 2
15.0
>>> int(7.5 * 2)
15
>>> int(7.75)
7
>>> float(3)
3.0

```

Noter la différence entre / et // : depuis la version 3 de Python, / est la division exacte sur les réels uniquement, et // est la division euclidienne sur les entiers relatifs uniquement.

5 Les chaînes de caractères

Il existe 256 « caractères » qui couvrent à peu près tout ce que l'on peut taper au clavier en une fois, en utilisant les touches de nombres, lettres ou ponctuations, éventuellement en combinaison avec la touche *majuscule* (*shift* en anglais) ou bien la touche *contrôle*. Une *chaîne de caractères*, comme son nom l'indique, est une suite finie de caractères.

Le type des chaînes de caractères est généralement appelé **string** mais en Python il est appelé de manière abrégée **str**. Pour produire une chaîne de caractères, il suffit de l'écrire entre guillemets, simple ou doubles :

```

>>> "toto"
'toto'
>>> 'toto'
'toto'
>>> toto
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
NameError: name 'toto' is not defined
>>> toto = 56
>>> toto
56

```

Les guillemets sont nécessaires car sinon, Python interprète la chaîne de caractères comme le nom d'une variable, et la commande est alors interprétée par Python en « donner la valeur de **toto** ».

L'opération la plus courante sur les chaînes de caractères est la concaténation, notée avec un « + ». Les autres opérations fréquentes sont la longueur (nombre de caractères) notée **len** et les comparaisons (ordre du dictionnaire).

```

>>> "toto" + "tutu"
'tototutu'
>>> len("toto")
4
>>> "toto" < "tutu"
True
>>> "ab" < "aab"
False
>>> "a b" == "ab"
False

```

Noter l'absence d'espace entre "toto" et "tutu" après concaténation.

Opérations	Entrée	Sortie
+	str×str	str
len	str	int
== < > <= >= !=	str×str	bool

6 Opération de substitution de chaînes de caractères

La structure de données des chaînes de caractères a encore une opération qui mérite une section d'explication à elle seule : la *substitution*, notée « % ».

Si la chaîne de caractères s_0 contient « %s » et si s_1 est une autre chaîne de caractères, alors $s_0 \% s_1$ est la chaîne obtenue en remplaçant dans s_0 les deux caractères %s par la chaîne s_1 . Par exemple :

```
>>> "bonjour %s ; il faut beau aujourd'hui." % "Pierre Dupond"
"bonjour Pierre Dupond ; il faut beau aujourd'hui."
```

Plus généralement, s'il y a plusieurs « %s », il faut mettre entre parenthèses autant de chaînes (s_1, \dots, s_n) après l'opération %. Par exemple :

```
>>> nom = "Dupond"
>>> prenom="Pierre"
>>> genre = "homme"
>>> "Ce %s s'appelle %s et c'est un %s" % (prenom,nom,genre)
"Ce Pierre s'appelle Dupond et c'est un homme"
```

Si l'on veut mettre un entier relatif, on utilise « %d » ou « %i » au lieu de « %s » (d comme décimal ou i comme integer, et s comme string).

```
>>> age = 41
>>> "%s %s a %d ans." % (prenom,nom,age)
'Pierre Dupond a 41 ans.'
```

Pour un nombre réel, c'est « %f » (f comme float).

```
>>> "%s %s mesure %fm." % (prenom,nom,1.85)
'Pierre Dupond mesure 1.850000m.'
```

et si l'on veut imposer le nombre de chiffres après la virgule :

```
>>> "%s %s mesure %.2fm." % (prenom,nom,1.85)
'Pierre Dupond mesure 1.85m.'
```

Les différents encodages des substitutions présentés ici sont les plus utiles. Il y en a d'autres, plus rarement utilisés, qu'on trouve aisément dans tous les manuels.

7 Des conversions de type (cast)

Connaître type d'une valeur ou d'un calcul est *primordial* lorsque l'on programme.

Par exemple `print("solde="+10+"euros")` est mal typé et constitue une erreur. En effet, on veut ici utiliser l'opération « + » qui effectue la concaténation des *chaînes de caractères*, par conséquent il faut lui fournir des *chaînes de caractères* en arguments : `print("solde="+10+"euros")`.

La valeur notée "10" est une chaîne de caractères constituée de deux caractères consécutifs "1" suivi de "0" il ne s'agit en aucun cas d'un nombre entier. La chaîne "10" est de type `str` et le nombre 10 est de type `int` : ils ne sont pas du tout encodés pareil dans la machine.

Pour passer de l'un à l'autre, il faut une fonction, qui est fournie par Python. Plus généralement, les fonctions qui permettent d'effectuer une conversion d'un type à l'autre de manière « naturelle » sont souvent appelées des *cast* :

- La fonction `str` transforme son argument en chaîne de caractère chaque fois que le type de l'argument est suffisamment simple pour le faire sans ambiguïté.
- La fonction `int` transforme de même son argument en entier relatif chaque fois que possible.
- La fonction `float` transforme de même son argument en réel chaque fois que possible.
- La fonction `bool` existe aussi mais n'a aucun intérêt du fait des opérations de comparaisons, bien plus claires.

```
>>> str(10)
'10'
>>> str(True)
'True'
>>> str(15.33)
'15.33'
>>> int("10")
10
>>> int("toto")
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
ValueError: invalid literal for int() with base 10: 'toto'
>>> int(12.3)
12
>>> int(12.9)
12
>>> int("12.9")
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
ValueError: invalid literal for int() with base 10: '12.9'
>>> float("12.6")
12.6
>>> float(12)
12.0
```

1 Les expressions conditionnelles

Abandonnons quelques instants la description des structures de données classiques en programmation pour étudier deux éléments cruciaux du contrôle : les expressions conditionnelles et les définitions de fonctions ou de procédures.

Une expression conditionnelle « de base » est de la forme *SI condition ALORS action1 SINON action2*. En python cela donne par exemple, comme on l'a déjà vu :

```
>>> if "a b" == "ab" :
...     print("L'espace ne compte pas.")
... else :
...     print("L'espace compte.")
...
L'espace compte.
```

Dans le cas où l'on ne souhaite rien faire lorsque la condition est fausse, on peut omettre la partie `else`.

```
>>> if len("abc") != 3 :
...     print("YA UN PROBLEME !")
...
>>>
```

Enfin il arrive qu'on ait des « cascades » d'expressions conditionnelles et dans ce cas le mot-clef `elif` est une contraction de `else if` (exemple dans la section suivante).

2 Les définitions de fonctions

Lorsque certains calculs sont assez bien identifiés pour porter un nom, on a intérêt à leur donner un nom, ce qui simplifiera leur usage ultérieurement. Pour cela on définit des *fonctions*. Par exemple :

```
>>> def complementaire (n) :
...     if n == 'A' :
...         return 'T'
...     elif n == 'T' :
...         return 'A'
...     elif n == 'G' :
...         return 'C'
...     elif n == 'C' :
...         return 'G'
...     else :
...         return 'N'
...
>>> complementaire ('G')
'C'
>>> complementaire ('N')
'N'
>>> complementaire(4)
'N' (mais cela devrait retourner une erreur de typage !)
>>> complementaire(complementaire('A'))
'A'
```

Le mot clef `def` signifie que toutes les lignes qui sont *sous sa portée* constituent une définition de la fonction `complementaire`. Le « (n) » entre parenthèses signifie que par la suite, on devra donner en entrée de cette fonction un seul argument, et que cet argument remplacera toutes les occurrences de `n` dans la définition pour calculer le résultat de la fonction `complementaire`.

- Les 10 lignes qui suivent la ligne « `def complémentaire (n) :` » sont *sous la portée* de `def` parce qu'elles ont un décalage de marge par rapport à `def`. La ligne vide qui suit ces 10 lignes indique que la marge revient à zéro, donc la fin de la portée de `def`.
- De la même façon, « `return 'T'` » est sous la portée de « `if n == 'A' :` » à cause d'un second décalage de marge, et le fait que le `elif` qui suit revienne au premier décalage de marge signifie la fin de la portée de « `if n == 'A' :` ».
- Si l'on veut programmer une fonction avec plusieurs entrées, il suffit de les séparer avec des virgules à l'intérieur de la parenthèse.

Le mot-clef `return` indique ce que la fonction fournit comme résultat. Dans chacun des cas, il faut donc n'avoir qu'un seul `return` possible. On peut alors réutiliser la fonction à toutes les sauces dans d'autres fonctions, exactement comme si le langage Python la fournissait parmi ses opérations :

```
>>> def nucleotide(n) :
...     return complémentaire(n) != 'N'
...
>>> nucleotide ('A')
True
>>> nucleotide ('B')
False
>>> def transcription (adn) :
...     if adn == 'A' :
...         return 'U'
...     else :
...         return complémentaire(adn)
...
>>> transcription ('A')
'U'
>>> transcription ('B')
'N'
>>> transcription ('G')
'C'
```

Noter qu'une *variable indique une place* : `adn`, aurait pu être remplacé par `n` ou `glop`...

3 Les définitions de procédures

Il est possible de définir des « fonctions » qui ne fournissent aucun résultat ! On appelle cela des *procédures*. Naturellement cela est d'un intérêt moindre et on préférera utiliser des fonctions chaque fois que possible.

Pour écrire une procédure, il suffit de ne jamais utiliser `return` dans la programmation. Par exemple, on peut se contenter d'écrire à l'écran le résultat du calcul, sans le fournir pour autant comme résultat « déclaré ».

```
>>> def trans (n) :
...     if n == 'A' :
...         print('U')
...     else :
...         print(complémentaire(n))
...
>>> trans ('A')
U
>>> trans ('G')
C
```

La différence ne saute pas aux yeux, si ce n'est que les guillemets n'apparaissent pas dans le « résultat » lors des appels de `trans`. En fait, `trans` imprime lui même U ou C à l'écran (commande `print`), alors que pour `transcription`, c'est le langage Python qui se chargeait d'écrire le résultat. La différence majeure, c'est que `trans` ne retourne aucun résultat. En voici la preuve :

```
>>> len(transcription('A'))
1
```

```

>>> type(transcription('A'))
<type 'str'>
>>> len(trans('A'))
U
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
TypeError: object of type 'NoneType' has no len()
>>> type(trans('A'))
U
<type 'NoneType'>

```

On remarque que `trans` est appelé dans chacune des deux commandes précédentes parce qu'il imprime « bêtement » à l'écran son résultat. Cependant il ne le fournit pas à la fonction qui l'appelle, donc `len` qui attend une chaîne de caractères, produit une erreur, et le « résultat » de `trans` est sans type.

Ainsi donc, on n'utilisera les procédures que pour imprimer divers résultats finaux à l'écran (IHM = Interface Homme-Machine).

4 Variables locales et variables globales

Lorsqu'une fonction ou une procédure modifie une variable, elle est toujours « locale » à cette fonction ou procédure. Cela signifie que sitôt que l'on est sorti de la fonction, on a « oublié » la variable.

```

>>> def triple (n) :
...     resultat = n * 3
...     return resultat
...
>>> triple (4)
12
>>> resultat
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
NameError: name 'resultat' is not defined

```

Mieux : si la variable était définie préalablement, elle n'est pas modifiée par la fonction :

```

>>> resultat = 128
>>> triple(2)
6
>>> resultat
128

```

En revanche, une variable *globale* qui n'est pas modifiée par la fonction est visible dans la fonction :

```

>>> def teste (n) :
...     if n > resultat :
...         print("plus grand")
...     else :
...         print("plus petit")
...
>>> teste (4)
plus petit
>>> teste (200)
plus grand

```

MAIS, par défaut, en Python une variable ne peut pas être *à la fois* globale et locale :

```

>>> def ajuste (n) :
...     if n > resultat :

```

```

...         resultat = n
...
>>> ajuste (200)
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
  File "<stdin>", line 2, in ajuste
UnboundLocalError: local variable 'resultat' referenced before assignment

```

Moralité : par défaut en Python, une fonction ou une procédure ne peut pas modifier une variable globale. Les autres langages l'autorisent par défaut mais c'est de toute façon un style de programmation dangereux, puisque l'état des variables serait alors modifié implicitement. Mieux vaut écrire :

```

>>> def ajuste (n) :
...     if n > resultat :
...         return n
...     else :
...         return resultat
...
>>> resultat = ajuste(200)
>>> resultat
200

```

Si l'on tient absolument à modifier une variable globale dans une fonction, il faut utiliser une *déclaration* dans la fonction qui change le comportement par défaut pour la variable en question. On utilise alors le mot `global` :

```

>>> nbUsage=0
>>> def triple(n) :
...     global nbUsage
...     resultat = 3 * n
...     nbUsage = nbUsage + 1
...     return resultat
...
>>> nbUsage
0
>>> triple(2)
6
>>> nbUsage
1
>>> triple(6)
18
>>> nbUsage
2

```

5 Compléments sur les chaînes de caractères, et while

Revenons un peu aux structures de données et commençons par des moyens complémentaires d'accéder aux caractères dans une chaîne de caractères.

Il est souvent pratique de pouvoir extraire le n -ième caractère d'une chaîne de caractères. Si s est une chaîne de caractères, alors l'opération d'*accès direct* $s[i]$ fournit le $(i+1)$ -ième caractère de la liste (c'est à dire que le premier caractère est en fait numéroté 0, le deuxième est numéroté 1, etc).

```

>>> "abcdef"[0]
'a'
>>> "abcdef"[1]
'b'
>>> "abcdef"[2]
'c'
>>> "abcdef"[5]

```

```
'f'
>>> "abcdef"[6]
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
IndexError: string index out of range
```

On peut alors par exemple calculer le brin complémentaire d'une portion de génome (et plus seulement d'un seul caractère à la fois comme le fait la fonction `complementaire` programmée au cours précédent). Il faut alors parcourir le brin d'origine « à l'envers » :

```
>>> def brinCompl (c) :
...     resultat = ""
...     i = len(c)
...     while i > 0 :
...         i = i - 1
...         resultat = resultat + complementaire(c[i])
...     return resultat
...
>>> brinCompl ("AAATCCGT")
'ACGGATTT'
```

À cette occasion, on rencontre une nouvelle commande de contrôle : `while`, qui s'utilise syntaxiquement comme un `if` sans `else`, mais dont le bloc de programme est exécuté et ré-exécuté tant que la condition reste vraie. ATTENTION : si l'on gère mal le programme, une instruction `while` peut boucler indéfiniment (par exemple si l'on oublie `i = i - 1`). La boucle ci-dessus met donc deux variables locales à jour : l'indice `i` des caractères que l'on traite les uns après les autres et la chaîne de caractères, construite pas à pas, qui fournira le résultat final.

Encore une opération qui est parfois utile sur les chaînes de caractères : `s0 in s` prend en entrée deux chaînes de caractères et retourne un booléen qui indique si `s0` est une sous-chaîne (consécutive) de `s` (test d'appartenance).

```
>>> "to" in "tatetitotu"
True
>>> "io" in "tatetitotu"
False
```

Pour calculer le nombre de voyelles d'une chaîne de caractères, on peut alors programmer :

```
>>> def nbvoyelles (s) :
...     n = 0
...     i = 0
...     while i < len(s) :
...         if s[i] in "aeiouyAEIOUY" :
...             n = n + 1
...             i = i + 1
...     return n
...
>>> nbvoyelles("toto")
2
```

(cette fois on a parcouru la chaîne dans l'ordre).

Terminons sur les chaînes de caractères en signalant qu'il est possible d'extraire plus de un caractère à la fois avec la forme suivante : `s[i:j]`. Cette forme fournit la chaîne de caractères commençant à l'indice `i` et se terminant à `j-1` (et non pas `j`, ce serait trop simple...).

```
>>> "abcdef"[2:5]
'cde'
>>> "abcdef"[2:2]
''
```

Cela permet d'extraire n'importe quelle sous-chaîne d'une chaîne de caractères.

6 Parcours de chaîne de caractères avec for

La primitive `for` permet de parcourir une chaîne de caractères du début à la fin en énumérant les caractères les uns après les autres, de la gauche vers la droite.

Reprenons l'exemple de `brinCompl` et commençons par remarquer que cette autre version, qui utilise toujours un `while`, est équivalente à la précédente parce qu'elle concatène à gauche de `resultat` :

```
>>> def brinCompl (c) :
...     resultat = ""
...     i = 0
...     while i < len(c) :
...         resultat = complementaire(c[i]) + resultat
...         i = i + 1
...     return resultat
```

Par définition, cette dernière version est équivalente à celle, plus simple, utilisant `for` :

```
>>> def brinCompl (c) :
...     resultat = ""
...     for l in c :
...         resultat = complementaire(l) + resultat
...     return resultat
```

1 Les listes

Une *liste* en Python est une suite finie d'éléments quelconques. Le type des listes est appelé `list`.

L'ensemble des listes est constitué des expressions de la forme

$$[e_1, \dots, e_n]$$

où les e_i sont des données absolument quelconques (elles peuvent même être aussi elles-mêmes des listes).

```
>>> [2+3,"toto",2.5]
[5, 'toto', 2.5]
>>> type([5,"toto",2.5])
<type 'list'>
>>> [5,[9,5.5],"toto"]
[5, [9, 5.5], 'toto']
>>> type([5,[9,5.5],"toto"])
<type 'list'>
```

Il se peut qu'il n'y ait aucun élément dans la liste ; il s'agit alors de la *liste vide*, notée `[]`.

Beaucoup d'opérations travaillent sur les listes, à commencer par les opérations d'accès direct que nous venons de voir sur les chaînes de caractères. Ces dernières se transcrivent sur les listes de manière naturelle :

```
>>> ["toto",5,"tutu",5.5][1]
5
>>> ["toto",5,"tutu",5.5][1:3]
[5, 'tutu']
```

Le test d'appartenance ne fonctionne que pour un unique élément dans une liste, et non pas pour une sous-liste contrairement aux chaînes de caractères.

```
>>> "glop" in ["toto",5,"tutu",5.5]
False
>>> "tutu" in ["toto",5,"tutu",5.5]
True
>>> "tu" in ["toto",5,"tutu",5.5]
False
>>> [5,"tutu"] in ["toto",5,"tutu",5.5]
False
>>> [5,"tutu"] in ["toto",[5,"tutu"],5.5]
True
```

Comme pour les chaînes de caractères, on trouve également les opérations : `len` pour la longueur (nombre d'éléments dans la liste) et `+` pour la concaténation de deux listes.

```
>>> def homogene (l) :
...     if len(l) == 0 :
...         return True
...     else :
...         t = type(l[0])
...         i = 1
...         vu = True
...         while vu and i < len(l) :
...             vu = vu and t == type(l[i])
...             i = i + 1
```

```

...         return vu
...
>>> homogene (["toto",5,"tutu",5.5])
False
>>> homogene (["toto","glop","titi"])
True
>>> homogene ([])
True

```

Lorsqu'une liste `l` est homogène, les opérations `min(l)` et `max(l)` fournissent respectivement le plus petit et le plus grand élément de la liste.

On peut également énumérer les éléments d'une liste homogène avec `for` :

```

>>> def somme (l) :
...     s = 0
...     for n in l :
...         s = s + n
...     return s
...
>>> somme ([])
0
>>> somme ([2,2,5,3])
12
>>> min ([2,2,5,3])
2
>>> max ([2,2,5,3])
5

```

2 Instructions de modification de liste

Contrairement aux chaînes de caractères, une variable de type liste peut être partiellement modifiée sans réaffecter toute la variable. Par exemple :

```

>>> coursesAfaire=["beurre","pain","artichaut","vin rouge"]
>>> coursesAfaire
['beurre', 'pain', 'artichaut', 'vin rouge']
>>> coursesAfaire[2]="avocat"
>>> coursesAfaire
['beurre', 'pain', 'avocat', 'vin rouge']

```

Ainsi, si v est une variable de type liste, alors l'instruction « $v[i]=expr$ » remplace l'élément d'indice i dans la liste par la valeur du calcul de l'expression $expr$.

En revanche, avec des chaînes de caractères c'est impossible :

```

>>> nom="Samon"
>>> nom[1]
'a'
>>> nom[1]='i'
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
TypeError: 'str' object does not support item assignment

```

On peut aussi remplacer une portion entière de liste par une autre liste :

```

>>> coursesAfaire[1:3]=["baguette","chou","vinaigre"]
>>> coursesAfaire
['beurre', 'baguette', 'chou', 'vinaigre', 'vin rouge']

```

Remarquez que dans l'instruction « $v[i:j]=expr$ » on remplace les indices de i à $(j-1)$...

3 Particularités des modifications de liste

Par défaut, l'expression doit être de type liste mais Python « fait ce qu'il peut » pour transformer l'expression en liste. Ici : une chaîne en liste de caractères...

```
>>> coursesAfaire = ['beurre', 'baguette', 'chou', 'vinaigre', 'vin rouge']
>>> coursesAfaire[1:3]="toto"
>>> coursesAfaire
['beurre', 't', 'o', 't', 'o', 'vinaigre', 'vin rouge']
>>> coursesAfaire[1:3]=8
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
TypeError: can only assign an iterable
```

Plus généralement, une structure de données qui peut être transformée en liste de manière naturelle est dite « itérable » en Python.

Il est également possible de supprimer un élément ou une tranche d'éléments d'une variable de type liste :

```
>>> coursesAfaire
['beurre', 't', 'o', 't', 'o', 'vinaigre', 'vin rouge']
>>> del coursesAfaire[2]
>>> coursesAfaire
['beurre', 't', 't', 'o', 'vinaigre', 'vin rouge']
>>> del coursesAfaire[1:4]
>>> coursesAfaire
['beurre', 'vinaigre', 'vin rouge']
```

Évitez à tout prix de prendre des indices hors des bornes, le comportement n'est pas garanti; cela ne produit pas forcément une erreur!

```
>>> del coursesAfaire[6]
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
IndexError: list assignment index out of range
>>> del coursesAfaire[1:6]
>>> coursesAfaire
['beurre']
```

En revanche, il est possible de donner des indices négatifs : cela signifie « en partant de la fin ». Ainsi « $v[-i]=expr$ » est équivalent à « $v[\text{len}(v)-i]=expr$ » :

```
>>> coursesAfaire=["beurre","pain","artichaut","vin rouge"]
>>> coursesAfaire[-1]
'vin rouge'
>>> coursesAfaire[1:-1]
['pain', 'artichaut']
>>> del coursesAfaire[1:-1]
>>> coursesAfaire
['beurre', 'vin rouge']
```

Enfin pour les tranches d'éléments (avec le « : »), un indice manquant va jusqu'au bout de la liste :

```
>>> coursesAfaire=["beurre","pain","artichaut","vin rouge"]
>>> coursesAfaire[1:]
['pain', 'artichaut', 'vin rouge']
>>> coursesAfaire[2:]
['artichaut', 'vin rouge']
>>> coursesAfaire[:2]
['beurre', 'pain']
```

```
['beurre', 'pain']
>>> coursesAfaire[:]
['beurre', 'pain', 'artichaut', 'vin rouge']
```

4 Exemple de programme sur les listes

Ecrire une fonction `combien` qui prend en entrée deux arguments : le premier est une valeur `e` de type quelconque et le second est une liste `l`. Cette fonction doit retourner en résultat le nombre de fois où l'élément `e` apparaît dans la liste `l` (en particulier 0 fois si l'élément n'apparaît jamais dans la liste).

```
>>> def combien (e,l) :
...     compteur = 0
...     for x in l :
...         if x == e :
...             compteur = compteur + 1
...     return(compteur)
```

1 La programmation structurée

sur l'exemple du calcul de la date du lendemain...

Le problème s'énonce : on se donne une date sous la forme de trois entiers (jour,mois,an), par exemple (31,3,1995) pour *le 31 mars 1995* et il faut que la fonction `lendemain` retourne le lendemain de ce jour, par exemple (1,4,1995) pour *le 1^{er} avril 1995*.

La phrase qui précède définit ce que le programme doit faire. Une telle description est appelée la *spécification* du programme. Passer d'une spécification en langue naturelle à un programme d'ordinateur n'est pas toujours facile *a priori*, cependant dans presque tous les cas la technique de *programmation structurée* permet d'aboutir à une solution élégante sans trop de difficulté.

Face à un problème, la technique de programmation structurée consiste, d'une certaine façon, à toujours choisir la solution de facilité en premier lieu. Non seulement ce n'est pas désagréable..., mais en plus, après avoir « inversé l'ordre de programmation » comme on le verra plus loin, on aboutit à un style de programmation extrêmement clair et facile à lire.

Essayons, et comme déjà vu mieux vaut commencer par éliminer les cas d'erreur, c'est-à-dire lorsque le triplet ne représente pas une date :

```
>>> def lendemain (jour,mois,an) :  
...     if an < 0 or mois < 1 or mois > 12 or jour < 1 or jour > ??? :  
...         print("La date fournie n'existe pas !")  
...     else :  
...         .... la suite ....
```

Bon, on tombe sur une première difficulté (les???) car le nombre maximal de jours possibles dépend du mois et c'est un calcul compliqué...

C'est là qu'intervient la programmation structurée : *c'est compliqué ? qu'à cela ne tienne, on suppose qu'il existe déjà une fonction qui résoud le problème !*

Dans l'exemple qui nous occupe, on suppose donc qu'il existe une fonction `nbjours` qui prend en entrée le mois et retourne en résultat le nombre de jours de ce mois. Dès lors, la gestion des cas d'erreur est résolue et passons à
`la suite`

Là, il y a plusieurs cas, selon qu'on est en fin de mois ou pas, en fin d'année ou pas. Le plus facile est naturellement lorsqu'il suffit d'ajouter 1 au jour. La programmation structurée, qui repousse comme on l'a dit toutes les difficultés à plus tard, nous dit de commencer par ce cas le plus facile.

```
>>> def lendemain (jour,mois,an) :  
...     if an < 0 or mois < 1 or mois > 12 or jour < 1 or jour > nbjours(mois) :  
...         print("La date fournie n'existe pas !!")  
...     elif jour < nbjours(mois) :  
...         return ( jour+1 , mois, an )  
...     else :  
...         .... la suite ....
```

Jusque là, on s'en est sorti sans mettre trop de jus de cerveau, on imagine donc que les difficultés vont commencer dans `la suite` (ou bien dans la programmation de `nbjours`). Pour la suite, puisqu'on est dans le `else` et que la date est correcte, c'est que nous sommes le dernier jour du mois. Bref, finalement, si nous ne sommes pas en décembre ce sera facile car il suffit d'ajouter 1 au mois et de revenir au premier du mois. La programmation structurée nous dit donc de commencer par ce cas facile.

```
>>> def lendemain (jour,mois,an) :  
...     if an < 0 or mois < 1 or mois > 12 or jour < 1 or jour > nbjours(mois) :  
...         print("La date fournie n'existe pas !!")  
...     elif jour < nbjours(mois) :  
...         return ( jour+1 , mois, an )
```

```

...     elil mois < 12 :
...         return ( 1 , mois+1 , an )
...     else :
...         .... la suite ....

```

Les difficultés seraient-elles derrière ce dernier `else`? pas vraiment puisque derrière ce dernier `else` nous sommes nécessairement le 31 décembre, il suffit donc de passer au premier janvier de l'année d'après :

```

>>> def lendemain (jour,mois,an) :
...     if an < 0 or mois < 1 or mois > 12 or jour < 1 or jour > nbjours(mois) :
...         print("La date fournie n'existe pas !!")
...     elif jour < nbjours(mois) :
...         return ( jour+1 , mois , an )
...     elil mois < 12 :
...         return ( 1 , mois+1 , an )
...     else :
...         return ( 1 , 1 , an+1 )

```

C'était donc simple finalement : en passant en revue un à un tous les cas les plus faciles, on arrive à la conclusion qu'il n'y a pas de cas difficile!

OK, la difficulté sera donc sans doute de programmer `nbjours`... La démarche de programmation structurée consiste, de manière assez naturelle, à ré-appliquer la même technique. On commence par la spécification :

Le sous-problème s'énonce : on se donne un mois sous forme d'un entier compris entre 1 et 12 et la fonction `nbjours` doit renvoyer le nombre de jours de ce mois.

Programmation structurée : on commence par les cas faciles, c'est-à-dire les mois de 31 jours et les mois de 30 jours :

```

>>> def nbjours(m) :
...     if m in [4,6,9,11] :
...         return(30)
...     elif m != 2 :
...         return(31)
...     else :
...         .... aie aie aie ....

```

Là, on découvre qu'on a été un peu optimiste : les autres mois étaient faciles mais le mois de février est insoluble en l'état car le nombre de jours du mois de février dépend de l'année.

Donc il nous manque une donnée ; il faut que `nbjours` prenne aussi l'année en argument ! Cela nous obligera à modifier la manière d'appeler la fonction `nbjours` dans la fonction `lendemain` :

```

>>> def lendemain (jour,mois,an) :
...     if an < 0 or mois < 1 or mois > 12 or jour < 1 or jour > nbjours(mois,an) :
...         print("La date fournie n'existe pas !!")
...     elif jour < nbjours(mois,an) :
...         return ( jour+1 , mois , an )
...     elil mois < 12 :
...         return ( 1 , mois+1 , an )
...     else :
...         return ( 1 , 1 , an+1 )

```

et reprenons la résolution du sous-problème de `nbjours`... Là encore, on cherche à ne faire que des choses faciles. Si l'année est bissextile, il y a 29 jours, sinon il y en a 28. Ce qui est difficile, c'est de savoir si l'année est bissextile.

```

>>> def nbjours(m) :
...     if n == 4 or n == 6 or n == 9 or n == 11 :
...         return(30)
...     elif n != 2 :
...         return(31)

```

```

...     elif ??? :
...         return(29)
...     else :
...         return(28)

```

On commence à en avoir l'habitude maintenant : *c'est compliqué ? qu'à cela ne tienne, on suppose qu'il existe déjà une fonction qui résoud le problème !*

On suppose donc qu'il existe une fonction `bissextile` qui résoud la question. Cette fonction devra renvoyer `True` si l'année est bissextile et `False` sinon.

```

>>> def nbjours(m) :
...     if n == 4 or n == 6 or n == 9 or n == 11 :
...         return(30)
...     elif n != 2 :
...         return(31)
...     elif bissextile(an) :
...         return(29)
...     else :
...         return(28)

```

C'était donc simple finalement. On imagine donc que c'est la fonction `bissextile` qui sera difficile à programmer...

La programmation structurée nous dit de commencer par spécifier cette fonction. Là, on fait un clic sur wikipedia par exemple et on finit par spécifier :

- Le sous-sous-problème s'énonce : on se donne une année sous la forme d'un nombre entier positif et la fonction `bissextile` doit retourner un booléen qui dit si l'année est bissextile. Une année est bissextile :
- si elle est visible par 4
 - mais qu'elle n'est pas divisible par 100
 - sauf que si elle est divisible par 400 alors elle est quand même bissextile.

Heu... bon, la programmation structurée dit de commencer par les cas faciles : si une année n'est pas divisible par 4, on est sûr qu'elle n'est pas bissextile.

```

>>> def bissextile(a) :
...     if a % 4 != 0 :
...         return(False)
...     else :
...         .... la suite ....

```

Il ne reste donc plus qu'à traiter dans la `suite` que les années divisibles par 4. C'est facile quand l'année est divisible par 400 car elle est dans ce cas toujours bissextile.

```

>>> def bissextile(a) :
...     if a % 4 != 0 :
...         return(False)
...     elif a % 400 == 0 :
...         return(True)
...     else :
...         .... la suite ....

```

Maintenant, une fois traitées les années multiples de 400, les années multiples de 4 sont bissextiles sauf si elles sont divisibles par 100 :

```

>>> def bissextile(a) :
...     if a % 4 != 0 :
...         return(False)
...     elif a % 400 == 0 :
...         return(True)
...     if a % 100 == 0 :

```

```

...     return(False)
...     else :
...     return(True)

```

Evidemment, Python n'est pas capable « d'attendre » qu'on ait programmé `nbjours` et `bissextile` pour traiter `lendemain`. Il faut donc inverser l'ordre de programmation. On programme donc en sens inverse de la manière dont on a réfléchi¹ :

```

>>> def bissextile(a) :
...     if a % 4 != 0 :
...         return(False)
...     elif a % 400 == 0 :
...         return(True)
...     else :
...         return (not (a % 100 == 0))
...
>>> def nbjours(m) :
...     if m == 4 or m == 6 or m == 9 or m == 11 :
...         return(30)
...     elif m != 2 :
...         return(31)
...     elif bissextile(an) :
...         return(29)
...     else :
...         return(28)
...
>>> def lendemain (jour,mois,an) :
...     if an < 0 or mois < 1 or mois > 12 or jour < 1 or jour > nbjours(mois,an) :
...         print("La date fournie n'existe pas !!")
...     elif jour < nbjours(mois,an) :
...         return ( jour+1 , mois , an )
...     elif mois < 12 :
...         return ( 1 , mois+1 , an )
...     else :
...         return ( 1 , 1 , an+1 )

```

Voilà, c'est résolu. La programmation structurée est fondée sur un mode de pensée plutôt confortable pour l'esprit : on commence par faire ce qui est simple, et on suppose déjà résolu (par des fonctions) les problèmes qui paraissent difficiles. On attaque ensuite chacune des fonctions qu'on a laissées de côté en suivant le même mode de pensée... et on finit par découvrir qu'on arrive au bout du problème sans jamais avoir eu à résoudre de problème très complexe!

1. Notez la petite simplification de `bissextile` que l'on a faite au passage

1 Les dictionnaires

Et si je dois acheter 5 pains, 2 artichauts, 2 plaquettes de beurre et 1 bouteille de vin ?

Il faut cette fois *associer*, d'une part, des entités (**beurre**, **pain**, etc), et d'autre part des informations sur chaque entité (ici une quantité entière mais ce pourrait être une information aussi complexe que l'on veut). La structure de données qui mémorise cela est classiquement appelée une « liste d'association » mais en raison de la ressemblance avec un dictionnaire qui associe à chaque mot une définition, Python appelle ce type **dict** (comme dictionnaire).

L'ensemble des dictionnaires est constitué des expressions de la forme

$$\{ e_1:d_1 , \dots , e_n:d_n \}$$

où les e_i sont des données *élémentaires* quelconques et les d_i sont des données quelconques. Par donnée élémentaire, on entend ici une donnée qui n'est pas elle-même une liste ou un dictionnaire.

```
>>> coursesPrecises = { "baguette":2 , "vin":1 , "saumon":2 }
>>> coursesPrecises[1]
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
KeyError: 1
>>> coursesPrecises["vin"]
1
```

On constate que l'on n'accède pas au contenu d'un dictionnaire par un indice entier donnant la position dans le dictionnaire mais, et c'est plus simple, par le nom des entités appartenant au dictionnaire.

Un dictionnaire peut être hétérogène :

```
>>> chelou = { "vin":2 , (4,5,6):"c'est un triplet" , 3.5:78 }
>>> type(chelou)
<type 'dict'>
>>> chelou[(4,5,6)]
"c'est un triplet"
>>> chelou[3.5]
78
>>> chelou[2]
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
KeyError: 2
```

L'accès à un dictionnaire se fait par les entités, pas par les informations qui lui sont associées.

On peut compléter ou modifier un dictionnaire avec une instruction d'affectation :

```
>>> coursesPrecises
{'baguette': 2, 'saumon': 2, 'vin': 1}
>>> coursesPrecises["saumon"]=1
>>> coursesPrecises
{'baguette': 2, 'saumon': 1, 'vin': 1}
>>> coursesPrecises["gateau"]=8
>>> coursesPrecises
{'baguette': 2, 'saumon': 1, 'vin': 1, 'gateau': 8}
```

On peut aussi supprimer une entité (et son information associée) avec **del**, obtenir le nombre d'entités avec **len** et tester si une entité est dans le dictionnaire avec **in**.

```

>>> del coursesPrecises["vin"]
>>> coursesPrecises
{'baguette': 2, 'saumon': 1, 'gateau': 8}
>>> len(coursesPrecises)
3
>>> "gateau" in coursesPrecises
True
>>> "chou" in coursesPrecises
False

```

Enfin, on peut *itérer* un bloc d'instructions sur toutes les entités d'un dictionnaire, un peu comme avec un `while` sur une chaîne de caractères ou sur une liste. Pour cela on utilise `for...in...`

```

>>> def total (d) :
...     s=0
...     for e in d :
...         s = s + d[e]
...     return s
...
>>> total(coursesPrecises)
11
>>> total(chelou)
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
  File "<stdin>", line 4, in total
TypeError: unsupported operand type(s) for +: 'int' and 'str'

```

Moralité : un dictionnaire avec des entités ayant toutes le même type et des informations ayant toutes le même type, c'est souvent mieux !

2 Exemples de programmes sur les dictionnaires

Si les clefs doivent être des données élémentaires, les informations qui leur sont associées peuvent en revanche être aussi complexes que l'on veut. Entre autres, ce peuvent être elles-mêmes des dictionnaires.

```

>>> anniv = { "Pierre" : {"jour":3,"mois":"jan","an":1965} ,
...          "Paul"   : {"jour":18,"mois":"nov","an":1998} ,
...          "Irène"  : {"jour":25,"mois":"mar","an":1982}  }
>>> anniv["Irène"]
{'mois': 'mar', 'jour': 25, 'an': 1982}
>>> anniv["Paul"]["an"]
1998

```

Supposons que l'on veuille écrire une fonction `lesAges` qui prend en entrée un dictionnaire `d` d'anniversaires similaire à `anniv` et une date courante `t`, et retourne en sortie la liste des âges des personnes du dictionnaire `d`.

```

def lesAges (d,t) :
    r = []
    for p in d :
        r = r + [...???.]
    return r

```

calculer l'âge d'une personne en fonction de son « dictionnaire anniversaire » et du dictionnaire représentant la date courante est de prime abord compliqué. Dans de tels cas, il faut toujours procéder de la manière suivante :

- on fait l'hypothèse qu'il existe des fonctions qui résolvent les problèmes compliqués (ici faire la différence de deux dates en nombre d'années entières : `diffDates(t1,t2)`);
- on programme comme si ces fonctions existaient (ici, `r = r + [diffDates(d[p],t)]`); naturellement Python n'acceptera cette programmation qu'après avoir réellement programmé ces fonctions;

- on s'attaque ensuite, une par une, aux fonctions identifiées par le processus précédent, et on leur applique exactement la même approche;
- la programmation est terminée lorsque les fonctions deviennent suffisamment simples pour ne plus avoir besoin de faire appel à des fonctions hypothétiques.

Ici, pour programmer `diffDates`, si la date de `t1` vient après celle de `t2` dans l'année, il suffit de faire la soustraction des années; sinon il faut soustraire 1 au résultat :

```
def diffDates (t1,t2) :
  if apresAnnee(t1,t2) :
    return t1["an"] - t2["an"]
  else :
    return t1["an"] - t2["an"] - 1
```

La fonction hypothétique qu'il faut maintenant programmer est `apresAnnee`. Ce qui est difficile est alors de comparer des mois qui ne sont pas des entiers mais des chaînes de caractères. Qu'à cela ne tienne, on fait l'hypothèse que la fonction `numero` fournit le numéro du mois.

```
def apresAnnee (u,v) :
  if numero(u["mois"]) > numero(v["mois"]) :
    return True
  elif numero(u["mois"]) == numero(v["mois"]) :
    return u["jour"] > v["jour"]
  else :
    return False
```

ou mieux :

```
numero={"jan":1, "Jan":1, "janv":1, "Janv":1, "janvier":1, "janvier":1,
        "fev":1, "Fev":1, "fevrier":1, "Fevrier":1, "fév":1, "Fév":1,
        "février":1, "Février":1,
        ...
}
```

```
def apresAnnee (u,v) :
  if not (u["mois"] in numero) or not (v["mois"] in numero)
    print("mois mal formé !")
  elif numero[u["mois"]] == numero[v["mois"]] :
    return u["jour"] >= v["jour"]
  else :
    return numero[u["mois"]] > numero[v["mois"]]
```

1 Compléments mineurs mais utiles sur le type str

Rappel : la fonction `int` convertit en entier (si possible) l'argument qu'on lui donne. Pour les `float`, ça tronque, pour les chaînes de caractères *ne contenant que des chiffres*, ça marche aussi. Au passage, `str` fait le contraire.

```
>>> int(12.7)
12
>>> int("12")
12
>>> int("12.7")
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
ValueError: invalid literal for int() with base 10: '12.7'
>>> str(126)
'126'
```

Si l'on veut ignorer les caractères qui ne sont pas des chiffres, il faut le programmer soi-même :

```
>>> def intsouple (s) :
...     r = 0
...     for c in s :
...         if c >= '0' and c <= '9' :
...             r = 10 * r + int(c)
...         #sinon on ignore le caractère
...     return r
...
>>> intsouple ("to3to4glop0")
340
```

La « fonction » `input` prend en entrée une chaîne de caractères et fournit en sortie une chaîne de caractère. Elle écrit à l'écran la chaîne qu'on lui donne en argument et attend que l'utilisateur tape une ligne (terminée par un retour chariot); le résultat de la « fonction » est alors la chaîne de caractère qu'a tapée l'utilisateur.

```
>>> def askint () :
...     s = input("entrez un entier positif : ")
...     n = intsouple(s)
...     if str(n) != s :
...         print("Vous tapez à coté des touches !")
...     return n
...
>>> 2 * askint()
entrez un entier positif : 45
90
>>> 2 * askint()
entrez un entier positif : glop9u0
Vous tapez à coté des touches !
180
```

2 Lecture de fichiers

Un fichier est une suite de caractères mémorisés sur le disque dur de la machine dans un endroit caractérisé par un « nom de fichier ». Les contraintes techniques font qu'on doit charger du disque dur vers la mémoire ces caractères les uns après les autres pour pouvoir travailler dessus. Ainsi, en programmation, on gère un fichier comme un « flux de caractères » sur lequel on peut « ouvrir un robinet » pour charger un certain nombre de caractères, en partant du début du fichier. Après usage, il faut « fermer le robinet ».

Il y a beaucoup de fichiers sur un disque dur, donc beaucoup de robinets potentiels. L'ensemble de tous ces robinets potentiels constitue le type de données appelé `file`.

Les opérations qui travaillent sur le type `file` sont nombreuses. La première de toutes consiste à « ouvrir un fichier », ce qui met le robinet correspondant à disposition du programme qui a ouvert le fichier. La fonction `open` prend en argument un nom de fichier (qui est une chaîne de caractères) et retourne un objet de type `file` (le robinet).

Par la suite, le programme disposera du « robinet », qu'il pourra ouvrir à chaque instant pour récupérer des quantités déterminées de caractères, ceci avec la « fonction » `read` qui prend en argument le nombre de caractères qu'on veut lire. La première ouverture de robinet « lit » les premiers caractères du fichiers ; l'ouverture suivante, toujours avec `read` reprendra à partir du premier caractère pas encore lu du fichier, et ainsi de suite.

Après utilisation du fichier, il est *très important* de « rendre le robinet au système » pour que d'autres programmes puissent l'utiliser ou le modifier à leur tour. La fonction `close` assure cette tâche en rendant le robinet de nouveau inaccessible au programme. Imaginons un fichier sur le disque, appelé « toto.txt », qui contiendrait la suite de caractères « TitiTrucMachinChouette ». On peut par exemple écrire :

```
>>> rob = open("toto.txt")
>>> w = rob.read(4)
>>> x = rob.read(4)
>>> y = rob.read(6)
>>> z = rob.read(8)
>>> rob.close()
>>> w
'Titi'
>>> x
'Truc'
>>> y
'Machin'
>>> z
'Chouette'
```

On observe une syntaxe nouvelle : au lieu d'écrire `read(rob,4)` ou `close(rob)`, on écrit `rob.read(4)` et `rob.close()`. Ceci est dû au fait que le robinet `rob` n'est pas une donnée comme celles qu'on a vues jusqu'à maintenant : c'est un *objet*.

Un objet en informatique est une entité qui peut « réagir » à un programme de plusieurs manières différentes en fonction de l'état dans lequel il est. Par exemple, après `open`, l'état de l'objet `rob` est d'être en début de fichier. Ainsi la première lecture `rob.read(4)` vaut "Titi" et change de manière implicite l'état de `rob` : maintenant le robinet en est au cinquième caractère, et on le voit parce que le prochain appel de `rob.read(4)` ne fournit plus Titi mais Truc.

Les opérations qui travaillent spécifiquement sur des *objets* en informatique sont appelées des *méthodes* et s'utilisent avec cette notation « pointée » qui se veut rappeler qu'une méthode ne prend pas seulement son objet en argument mais peut aussi changer son état.

`close` est finalement la méthode « d'apoptose du robinet »... et change radicalement l'état de son objet en le faisant disparaître (le robinet disparaît du programme mais le fichier reste parfaitement visible dans le disque dur).

3 Quelques méthodes utiles de lecture de fichiers

`readline()` : cette méthode lit autant de caractères que nécessaire pour aller jusqu'en fin de ligne (le retour-chariot inclus). Par exemple si `gamin.txt` contient les 4 lignes

```
premier doigt
deuxième doigt
second doigt
troisième doigt
```

alors on peut programmer :

```
>>> def affiche (f) :
...     fich = open(f)
...     i = 1
...     ligne = fich.readline()
...     while ligne != "" :
...         print("%i : %s" % (i,ligne))
...         i = i + 1
...         ligne = fich.readline()
...     fich.close()
...
>>> affiche("gamin.txt")
1 : premier doigt

2 : deuxième doigt

3 : second doigt

4 : troisième doigt
```

Lorsque l'objet fichier arrive en fin de fichier (plus rien à lire), la méthode `readline` retourne une chaîne vide. La procédure précédente s'arrête donc à la fin du fichier. Remarquons aussi que les trois premières lignes sont suivies d'une ligne vide : c'est dû au fait que `readline` inclût le retour-chariot *et* que `print` en écrit également un (au passage, une ligne vide en milieu de fichier n'arrête pas le `while` car `s` contient alors le retour-chariot). Enfin, si le fichier ne se termine pas par un retour-chariot, alors le dernier `readline` fournit les caractères qui restent jusqu'à la fin de fichier, sans retour-chariot final.

1 Quelques méthodes utiles de lecture de fichiers (suite)

`tell` : cette méthode retourne la position du robinet, c'est-à-dire le nombre de caractères déjà lus.

```
>>> r = open("toto.txt")
>>> r.read(4)
'Titi'
>>> r.read(4)
'Truc'
>>> r.tell()
8L
>>> r.close()
```

Le « L » signifie « entier long » car la taille d'un fichier peut être vraiment très grande et python encode la taille dans ce type, qui se manipule exactement comme les entiers de type `int`.

Ajoutons qu'on peut faire un `for` sur un fichier : cela énumère les lignes du fichier :

```
>>> f = open("gamin.txt")
>>> for ligne in f :
...     print(len(ligne))
...
14
15
13
15
>>> f.close()
```

On peut par exemple écrire d'une procédure `more(fichier)` qui affiche à l'écran le contenu du fichier, par pages de 24 lignes :

```
>>> def more(f):
...     hauteur=24
...     r=open(f)
...     vues=0
...     for l in r:
...         print(l[:-1]) # enlève le passage à la ligne de l
...         if vues < hauteur:
...             vues=vues+1
...         else:
...             s=input("suite... ")
...             vues=0
...     r.close
```

La dernière ligne, si elle ne se termine pas par un retour chariot, voit son dernier caractère disparaître. Pour bien faire, il faudrait tester si la dernière ligne contient une fin de ligne ("`\n`") ou non.

2 Ecriture de fichiers

Il est possible « d'entrer un flux contraire dans un robinet » c'est-à-dire d'écrire dans un fichier. Il faut alors ouvrir le fichier non plus en lecture mais en écriture :

`open(nom, 'w')` est une fonction qui crée un fichier de ce `nom`. Si un fichier du même `nom` existait, il est remis à zéro (vidé) par `open`.

Ensuite, il suffit d'utiliser la méthode `write` qui prend en argument une chaîne de caractères et a pour effet de l'écrire dans le fichier.

```
>>> f = open("nouveau.txt","w")
>>> f.write("Toto")
>>> f.write("Tutu")
>>> f.write("Glop\n")
>>> f.write("ligne numero 2 seulement\n")
>>> f.close()
```

Le fichier contient alors :

```
TotoTutuGlop
ligne numero 2 seulement
```

et l'on remarque qu'il faut explicitement écrire, avec `write`, les retour-chariots sous la forme « `\n` ».

Ainsi la fonction `open` peut prendre 2 arguments. Le deuxième argument peut être

- "`r`" (comme *read*) : c'est l'argument par défaut, voir les sections précédentes.
- "`w`" (comme *write*) : si le fichier à l'adresse du premier argument n'existe pas alors il est créé; s'il existe déjà alors il est entièrement écrasé.
- "`a`" (comme *append*) : si le fichier à l'adresse du premier argument n'existe pas alors il est créé; s'il existe déjà alors les caractères sont ajoutés à la fin du fichier.

On peut par exemple écrire une procédure `merge` qui prend 3 arguments de type chaîne de caractères (`f1`, `f2` et `f3`) contenant des noms de fichiers : en supposant que les fichiers `f1` et `f2` contiennent des lignes triées par ordre alphabétique (selon l'ordre `ascii`), la procédure `merge` crée le fichier `f3` contenant l'union des lignes de `f1` et `f2`, également triées.

```
>>> def merge(f1,f2,f3) :
...     a = open(f1)
...     b = open(f2)
...     c = open(f3,"w")
...     x = a.readline()
...     y = b.readline()
...     while x != "" and y != "" : # une ligne à voir dans chaque fichier
...         if x < y :
...             c.write(x)           # on écrit la plus petite des 2 lignes
...             x = a.readline()     # et on lit la suite du fichier utilisé
...         else :
...             c.write(y)           # idem
...             y = b.readline()
...     while x != "" :             # on termine le fichier non épuisé,
...         c.write(x)
...         x = a.readline()
...     while y != "" :             # un seul des 2 derniers while est exécuté
...         c.write(y)
...         y = b.readline()
...     a.close()
...     b.close()
...     c.close()
...     print("Le fichier " + f3 + " est rempli.")
```

En supposant que le fichier `toto.txt` contienne

```
alain
marc
pierre
robert
yves
zorro
```

et que `titi.txt` contienne

bernard
joe
luc
thomas

la commande `merge("toto.txt", "titi.txt", "tutu.txt")` fabrique le fichier `tutu.txt` contenant :

alain
bernard
joe
luc
marc
pierre
robert
thomas
yves
zorro

1 Les modules en Python

En ce point du cours, nous avons étudié la majorité des structures de données classiques (manquent les *arbres* et les *graphes* qui relèvent de cours plus avancés) et la quasi-totalité des structures de contrôle (le *traitement d'exceptions* et la *récurtivité* relèvent de cours plus avancés). On peut même affirmer que quel que soit le problème posé, s'il existe un programme qui le résoud alors nous avons vu tous les éléments pour le faire.

Il existe cependant des questions « standard » qu'il serait peu productif de résoudre chacun pour soi : ces questions sont tellement courantes que les programmes qui les résolvent sont stockés dans des *bibliothèques* (*libraries* en anglais). En Python, une telle bibliothèque est constituée de nombreux *modules* et un module est constitué de plusieurs fonctions (ou procédures) déjà programmées. Dans un module, on prend soin de regrouper les fonctions qui permettent de gérer un type de problème donné, bien souvent ce sont simplement les opérations associées à une structure de données adaptée au problème.

On peut même écrire soi-même des modules. Lorsque l'on veut écrire un gros logiciel, c'est généralement une bonne idée de le découper en modules (qui seront du même coup réutilisables par ailleurs), en suivant généralement le principe « au moins un module par nouvelle structure de donnée ». Il suffit alors d'importer les modules pour utiliser les fonctions qui y ont été programmées.

Pour créer un module, il suffit de programmer les fonctions qui le constituent dans un fichier portant le nom du module, suivi du suffixe « .py ». Depuis un (autre) programme en Python, il suffit alors d'utiliser la primitive `import` pour pouvoir utiliser ces fonctions. On peut aussi définir des variables globales dans un module.

Par exemple, si l'on crée un fichier appelé `mapile.py` et contenant :

```
contenu = []

def push(e) :
    global contenu
    contenu = contenu + [e]

def height() :
    global contenu
    return len(contenu)

def pop() :
    global contenu
    if len(contenu) > 0 :
        top = contenu[-1]
        contenu = contenu[:-1]
        return top
    else :
        print "mapile.pop: ERREUR la pile est vide !"
```

alors sous Python on peut écrire :

```
>>> import mapile
>>> mapile.contenu
[]
>>> mapile.push(36)
>>> mapile.contenu
[36]
>>> mapile.height()
1
>>> mapile.pop()
36
>>> mapile.height()
0
>>> mapile.pop()
```

```
mapile.pop: ERREUR la pile est vide !
```

On remarque que :

- `import` est une instruction de contrôle de Python très particulière puisqu'il n'est pas nécessaire d'écrire `mapile` entre guillemets pour en faire une chaîne de caractères, pourtant, `import` ne considère pas `mapile` comme un nom de variable!
- On n'écrit pas le suffixe du fichier mais seulement le nom du module.
- Pour utiliser les fonctions et procédures du module, il faut les préfixer du nom du module avec un point au milieu.

Python trouve ses modules dans le répertoire courant, comme on vient de le voir, mais aussi dans des répertoires prédéfinis où se trouvent des modules utiles écrits par d'autres programmeurs.

Un module peut faire appel à un autre module : il suffit qu'il contienne lui-même une instruction `import`.

Les modules dits « standard » sont documentés dans de nombreux livres sur Python et, avec un peu d'habitude, l'appel à des modules renforce considérablement la rapidité de programmation. Libre à vous d'explorer la liste presque sans fin des modules existants (et qui s'enrichit tous les jours) : vous avez maintenant toutes les bases de programmation nécessaires pour comprendre leur usage à partir de leur documentation.

Nota : sur la page web http://www.i3s.unice.fr/~bernot/Enseignement/GB3_Python1 vous trouverez, avec un retard de quelques jours par rapport au cours, des notes de cours et les feuilles de TD.

1 Installation de Python

Vérifiez tout d'abord que Python ne soit pas déjà installé sur votre machine. Si oui, passez cette partie du TD...

- Cherchez (par exemple *via google*) la page officielle de Python et choisissez la version stable la plus récente.
- Ne pas utiliser les « sources » : ce sont des textes de programmes qui doivent être compilés pour fabriquer les commandes utiles pour le langage Python (python, IDLE, etc.). Mieux vaut utiliser les installations déjà compilées, qui sont alors dépendantes du système que vous utilisez : Windows, Linux, Mac OS 10, etc.
- Chargez celle qui convient. Cela installera dans vos menus diverses commandes utiles pour Python.

Lancez parmi ces commandes « IDLE ».

- Une fenêtre apparaît, avec « >>> » et le curseur qui attend que vous commenciez à programmer, et donnera les résultats au fur et à mesure de vos commandes.
- Dans le menu de IDLE, *File/New* permet d'accéder à un éditeur. Dans cet éditeur on peut modifier à loisir un texte de programme en Python mais, contrairement à la première fenêtre IDLE, cela ne l'exécute pas au fur et à mesure des lignes tapées. Pour exécuter le programme, il faut choisir *Run* dans le menu de l'éditeur : cela demande un nom de fichier la première fois, où le texte du programme sera sauvegardé avant d'être exécuté.
- Ultérieurement, dans le menu de IDLE, *File/Open* permet d'éditer un ancien fichier de programme de son choix. Il faut donc choisir des noms de fichier « parlants »...

2 Premiers calculs

Exercice 1 : Tapez les exemples vus en cours. À cette occasion, on découvre entre autres :

- que les accents ne sont pas bien gérés, mieux vaut les éviter
- que l'indentation (les marges) doivent impérativement être scrupuleusement respectées,
- qu'il faut une ligne vide à la fin d'un « `def ... :` » pour que l'ordinateur comprenne qu'on a fini la définition de fonction
- etc.

Exercice 2 : Écrivez une fonction `triangle` de 3 arguments `a`, `b` et `c` qui indique si ces 3 réels définissent les côtés d'un triangle, en suivant le procédé suivant : le plus grand des côtés doit être inférieur à la somme des deux autres.

3 Définition de la syntaxe des expressions booléennes

Un programme dans un langage donné est une suite de symboles, construite en respectant certaines règles. La *syntaxe* explique comment sont construits les mots et les phrases valides du langage (les expressions), la *sémantique* en donne le sens.

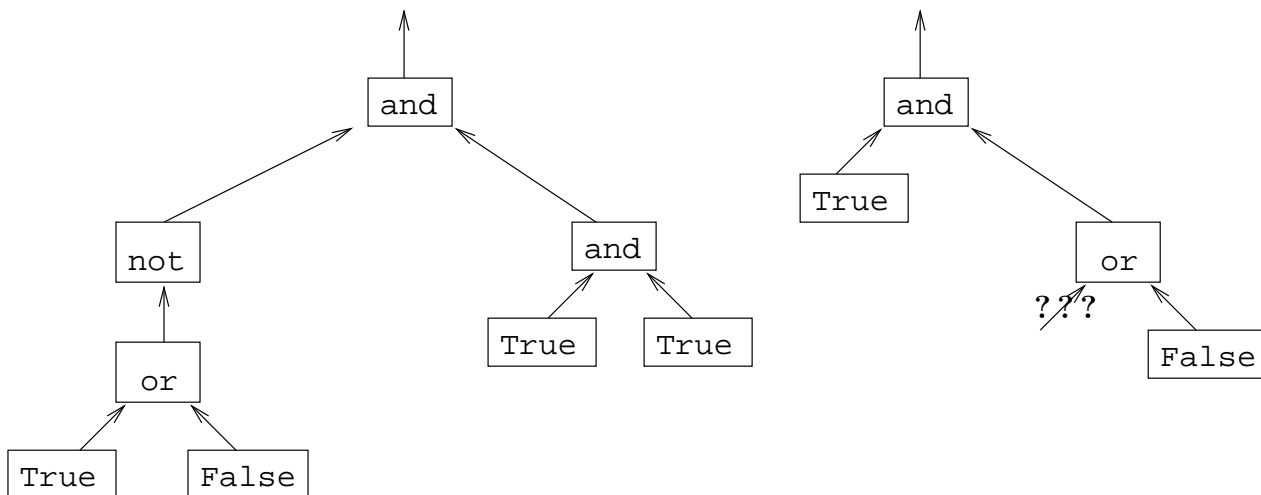
Ainsi, une expression booléenne est :

- une constante booléenne (`True` ou `False`)
- ou une expression unaire de la forme « `not exp` » où `exp` est une expression booléenne plus simple
- ou une expression binaire de la forme « `exp1 and exp2` » où `exp1` et `exp2` sont des expressions booléennes plus simples
- ou une expression binaire de la forme « `exp1 or exp2` » où `exp1` et `exp2` sont des expressions booléennes plus simples

Exemples d'expressions correctes avec ces règles : « `True` », « `True and False` », « `(True and False) or True` ».

Expressions incorrectes : « `True and` », « `True and or False` » ou « `True not False` ». Elles comportent des *erreurs syntaxiques* parce qu'elles ne peuvent pas être construites en utilisant uniquement les règles précédentes.

Pour respecter ces règles, il faut pouvoir fabriquer un *arbre syntaxique* tel que, en chaque nœud de l'arbre, l'opération booléenne qui sera calculée en dernier en constitue la *racine*, et les expressions qu'elle relie sont les *sous-arbres*. Par exemple l'expression « `not(True or False) and (True and True)` » est correcte alors que « `True and or False` » ne l'est pas. En effet, elles conduisent respectivement aux formes d'arbre syntaxique suivantes :



Exercice 3 : Tracez les arbres syntaxiques des expressions précédentes. Vérifier que l'arbre est bien formé pour les expressions correctes, mal formé ou impossible à compléter sinon.

Un opérateur binaire peut être placé, comme ici, en position *infixe* c'est-à-dire, entre ses arguments. Pour certains opérateurs ou dans certains langages de programmation, il peut aussi être placé en position *préfixe* (devant ses arguments : « or (exp,exp) ») ou plus rarement *postfixe* (derrière ses arguments : « exp exp or »). Dans le langage Python, and et or sont infixes mais les fonctions que vous programmerez vous-mêmes seront préfixes.

4 Priorité et parenthésage à gauche

Nous allons maintenant travailler avec des expressions arithmétiques que nous pouvons définir de la façon suivante. Une expression arithmétique est :

- un nombre entier relatif
- ou une expression binaire de la forme « $exp1 + exp2$ » où $exp1$ et $exp2$ sont des expressions arithmétiques
- ou une expression binaire de la forme « $exp1 - exp2$ » où $exp1$ et $exp2$ sont des expressions arithmétiques
- ou une expression binaire de la forme « $exp1 * exp2$ » où $exp1$ et $exp2$ sont des expressions arithmétiques
- ou une expression binaire de la forme « $exp1 / exp2$ » où $exp1$ et $exp2$ sont des expressions arithmétiques
- ou une expression binaire de la forme « $exp1 \% exp2$ » où $exp1$ et $exp2$ sont des expressions arithmétiques
- ou enfin une expression binaire de la forme « $exp1 ** exp2$ » où $exp1$ et $exp2$ sont des expressions arithmétiques

Exercice 4 : Tracez les arbres syntaxiques des expressions suivantes : « $(1 + (5 \% 2)) - 4$ », « $(5 ** 2) - (3 / 2)$ » et « $(4 ** / 4) +$ ».

Vérifiez pour chacune si l'arbre est bien formé (expressions correctes) ou mal formé et dans ce cas indiquez les malformations.

L'expression $2 * 3 + 4$ peut *a priori* être interprétée comme $A = (2 * 3) + 4$ ou comme $B = 2 * (3 + 4)$.

Exercice 5 : De combien de façon peut-on *a priori* évaluer l' expression $2*8/4+5$?

Il y a donc des ambiguïtés si l'on ne met pas toutes les parenthèses. Une solution consisterait à ajouter des parenthèses pour lever l'ambiguïté mais, pour limiter l'usage de parenthèses dans la notation infixe, on peut définir un ordre d'utilisation, appelé *priorité* sur les opérateurs.

Une opération $op1$ est prioritaire devant $op2$ si $op1$ « choisit » ses arguments avant $op2$. Par exemple, « $*$ » est prioritaire devant « $+$ », $2 * 3 + 4$ se lit donc $(2 * 3) + 4$. Si l'on souhaite un groupement différent des arguments, il faut alors utiliser des parenthèses : $2 * 2 + 4$ vaut 8 alors que $2 * (2 + 4)$ vaut 12. Si deux opérations ont même priorité, leurs arguments sont lus de gauche à droite. Par exemple, « $*$ » et « $/$ » ont même priorité donc $2 * 3 / 4$ signifie $(2 * 3) / 4$.

En Python :

- les opérations sur les nombres ont la priorité, avec de plus $*$ / $\%$ et $**$ prioritaires sur $+$ et $-$
- les comparaisons viennent ensuite
- enfin des opérations booléennes
- les opérateurs de même priorité sont parenthésés à gauche.

Exercice 6 : Inventez une demi-douzaine d'expressions dont le résultat, une fois calculé sous Python, permet de mettre en évidence ces priorités.

Premières fonctions et procédures en Python

Exercice 1 : Écrivez en python une fonction `carre` qui prend en entrée un nombre entier relatif (de type `int`) et retourne en sortie son carré.

Par exemple `carre(5)` retourne 25.

Faites des essais d'utilisation avec plusieurs valeurs entières.

Faites aussi un essai avec une valeur réelle (type `float`) : ça marche aussi ! pourquoi à votre avis ?

Exercice 2 : Écrivez en python une procédure `double` qui prend en entrée un nombre entier relatif `n` et imprime à l'écran "`le double de ... est ...`" qui indique à combien est égal le double de `n`.

Par exemple `double(6)` imprime à l'écran "`le double de 6 est 12`" (mais ne retourne aucun valeur en tant que fonction).

Faites 2 versions, l'une utilisant la concaténation `+`, l'autre avec l'opération de substitution `%`.

Exercice 3 : Quels résultats donneraient respectivement les expressions `1 + carre(2)` et `1 + double(2)` ?

Vérifiez vos prédictions *après* les avoir formulées...

Exercice 4 : Écrivez en python une fonction `direAge` qui prend en entrée une chaîne de caractères `p` (qui sera en fait un prénom) et un entier `n` (sa date de naissance), et qui retourne une chaîne de caractères en suivant l'exemple suivant :

`direAge("Max",1991)` retourne la chaîne "`Max a 21 ans.`"

Si la différence entre l'année courante (2012) et la date de naissance est supérieure à 150, la fonction devra imprimer à l'écran une erreur indiquant que la date de naissance est improbable.

Exercice 5 : Écrivez en python une fonction `arrondi_pair` qui prend en entrée un nombre entier relatif `n` et qui retourne le nombre pair immédiatement inférieur ou égal à `n`.

Par exemple, `arrondi_pair(5)` retourne 4, `arrondi_pair(6)` retourne 6, `arrondi_pair(7)` retourne 6, `arrondi_pair(8)` retourne 8, etc.

Indication : on peut utiliser la division entière. `(7 // 2)` vaut 3 (et il reste 1), donc `(7 // 2) * 2` vaut 6, le résultat attendu.

Exercice 6 : Écrivez en python une fonction `filtre` qui prend en entrée un entier relatif `n`, qui imprime à l'écran un message d'erreur si `n` est négatif, qui retourne `n` lui même s'il est inférieur à 1000 et la moitié (entière) de `n` s'il est supérieur à 1000.

Par exemple `filtre(-36)` imprime "`Erreur!`" à l'écran ; `filtre(358)` retourne 358, `filtre(1050)` retourne 525 et `filtre(1051)` aussi.

Exercice 7 : Écrivez en python une procédure `ecrit_ligne` qui prend en entrée une chaîne de caractères et l'imprime à l'écran sous réserve qu'elle fasse moins de 50 caractères de long. Si elle fait plus de 50 caractères, la procédure écrit seulement la ligne "`TROP LONG!`".

Par exemple, `ecrit_ligne("ligne assez courte.")` imprime à l'écran "`ligne assez courte.`".

Par contre, si on lui donne en entrée "`012345678901234567890123456789012345678901234567890123456789glop`" la procédure `ecrit_ligne` imprime à l'écran "`TROP LONG!`".

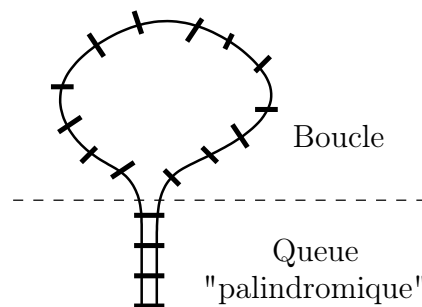
Chaînes de caractères et palindromes

Exercice 1 : Écrivez la fonction `inverse` qui prend en entrée une chaîne de caractères et fournit en sortie la chaîne inversée. Par exemple `inverse ("Gaston")` fournit la chaîne `"notsaG"` en résultat.

Exercice 2 : Écrivez la fonction `palindrome` qui prend en entrée une chaîne de caractères et fournit en sortie un booléen qui dit si c'est un palindrome.

- Une première version simple consiste à comparer la chaîne avec son inverse : écrivez-la.
- La première version a le désavantage de parcourir 2 fois la chaîne de caractères (une fois pour l'inverser et une fois pour la comparer avec l'original). Écrivez une seconde version se limitant à deux fois moins de comparaisons que de caractères dans la chaîne.

Exercice 3 : Écrivez une fonction `boucle` qui prend en entrée une séquence d'ARN et qui fournit en sortie la boucle maximale obtenue en supprimant aux extrémités les sous-séquences qui se replient l'une sur l'autre selon le dessin suivant :



Limitations : cette fonction présente plusieurs limitations. Lequelles? Si vous finissez le TD avant la fin, essayez de programmer une meilleure fonction (mais ce n'est pas toujours facile...:-)).

Exercice 4 : Écrivez une fonction `phase` :

- qui prend en entrée deux chaînes de caractères `c` et `b`, où `c` est supposé être un codon (donc chaîne d'ATGC de 3 caractères exactement) et `b` un brin d'ADN (donc une chaîne ne contenant que des ATGC),
- qui fournit en sortie la phase de lecture (1, 2 ou 3) du codon dans le brin,
- et 0 dans le cas où le codon n'est pas dans le brin.

Premières fonctions sur les listes

Exercice 1 : Écrivez une fonction `indice` qui prend en entrée une valeur quelconque `e` et une liste `l`, et fournit en sortie :

- l'indice de l'élément `e` dans la liste `l` si `e` est dans `l` (l'indice est alors compris entre 0 et la longueur de la liste *moins un*),
- la longueur de la liste `l` si `e` n'est pas dans `l`.

Exercice 2 : Écrivez une fonction `longueurMoyenne` qui prend en entrée une liste dont les éléments sont des chaînes de caractères (par exemple des séquences d'ARN messagers), et qui retourne en sortie la longueur moyenne des chaînes appartenant à la liste.

- On prendra soin de renvoyer un nombre réel (plus précis qu'un entier).
- Si la liste est vide, renvoyer 0.

Exercice 3 : Écrivez une fonction `covariants` qui prend en entrée deux profils d'expression, pour deux gènes G1 et G2, et qui retourne un booléen qui dit s'ils sont covariants. Les deux listes sont supposées de même longueur puisqu'elles représentent des mesures successives faites en même temps sur les deux gènes. Les niveaux d'expression sont des entiers compris entre 0 et 255 (typiquement issus de mesures de fluorescence sur des puces à ADN).

Exercice 4 : Bien comprendre les deux fonctions suivantes :

Compresser une liste de nucléotides où l'on suppose qu'il y a beaucoup de répétitions successives de nucléotides. L'idée est de ne pas recopier plusieurs fois un nucléotide répété mais de mémoriser dans la liste son nombre d'occurrences. Par exemple la fonction `comprime` appliquée à `['A', 'A', 'A', 'G', 'C', 'T', 'T', 'C', 'C', 'C', 'G']` retourne comme résultat `['A', 3, 'G', 'C', 'T', 2, 'C', 3, 'G']`.

```
>>> def comprime (l) :
...     r = []
...     compteur = 0
...     precedent = ""
...     for nucl in l :
...         if nucl == precedent :
...             compteur = compteur + 1
...         else :
...             # mémoriser le nucleotide precedent
...             if compteur > 1 :
...                 r = r + [ precedent , compteur ]
...             elif compteur == 1 :
...                 r = r + [ precedent ]
...             # préparer la suite
...             precedent = nucl
...             compteur = 1
...     #traiter le dernier nucleotide en sortant du for
...     if compteur >= 2 :
...         return r + [ precedent , compteur ]
...     else :
...         return r + [ precedent ]
```

et pour décompresser :

```
>>> def deploie (l) :
...     r = []
...     precedent = ""
...     for elem in l :
...         if type(elem) != type(0) :
...             r = r + [elem]
...             precedent = elem
...         else :
...             while elem > 1 :
...                 r = r + [precedent]
...                 elem = elem - 1
...     return r
```


Fonctions sur les dictionnaires et les listes

On considère tout au long de ce TD et du suivant des dictionnaires représentant des mesures réelles de (type `float`) faites à divers « temps » comptés en heures et minutes à partir d'un top de départ "00h00" et sur une durée totale ne pouvant pas dépasser "99h59". Par exemple :

```
{ "01h00":0.5 , "02h45":1.55 , "05h00":2.5 , "07h35":18.5 , "10h00":0.2 , "15h11":4.0 }
```

Ces mesures sont supposées être les niveaux de concentration d'une protéine tout au long d'une expérience. La chaîne de caractère représentant les temps sont normalisées comme dans l'exemple, de sorte que deux temps peuvent être comparés simplement comme des chaînes de caractères.

Exercice 1 : Écrivez une fonction `horloge` qui prend en entrée un dictionnaire `d` comme précédemment, et fournit en sortie la liste triée des temps du dictionnaire. INDICATION : `sorted` est une fonction qui prend une liste en entrée et retourne cette liste triée par ordre croissant.

Exercice 2 : Écrivez une procédure `afficheProfil` qui à partir d'un dictionnaire représentant un profil, affiche à l'écran son contenu dans l'ordre croissant des temps.

Exercice 3 : Écrivez une fonction `tempsmini` qui prend en entrée un dictionnaire et fournit en sortie la liste des temps où la protéine a atteint son minimum de concentration. On admettra sans le vérifier que l'heure "00h00" appartient toujours au dictionnaire.

Exercice 4 : Écrivez une fonction `normalise` qui prend en entrée un dictionnaire et le « lisse » en donnant une unique mesure chaque heure ("00h00", "01h00", ..., "99h00"). On procède de la manière suivante :

- On fournit un message d'erreur si le dictionnaire de départ ne possède aucune mesure comprise entre les temps "00h00" et "00h30", sinon la mesure donnée en "00h00" est la moyenne des mesures comprises entre ces deux temps.
- Ensuite, pour chaque heure "Xh00", on associe la moyenne des valeurs du dictionnaire de départ entre les temps "(X-1)h30" et "Xh30", ou la moyenne précédente s'il n'y a aucune mesure entre ces deux temps.
- Le dictionnaire retourné par la fonction `normalise` contient donc 100 mesures lissées (de "00h00" à "99h00").

Fonctions sur les dictionnaires et sur les fichiers

On considère encore tout au long de ce TD des dictionnaires représentant des mesures réelles de (type `float`) faites à divers « temps » comptés en heures et minutes à partir d'un top de départ "00h00" et sur une durée totale ne pouvant pas dépasser "99h59". Par exemple :

```
{ "01h00":0.5 , "02h45":1.55 , "05h00":2.5 , "07h35":18.5 , "10h00":0.2 , "15h11":4.0 }
```

Ces mesures sont supposées être les niveaux de concentration d'une protéine tout au long d'une expérience. La chaîne de caractère représentant les temps sont normalisées comme dans l'exemple, de sorte que deux temps peuvent être comparés simplement comme des chaînes de caractères.

NOTE : sauvegardez vos fonctions pour pouvoir les réutiliser.

Exercice 1 : Écrivez la fonction `chargement` qui prend en entrée le nom d'un fichier dont le contenu a une forme normalisée comme la suivante :

```
01h00 = 0.5
02h45 = 1.55
05h00 = 2.5
07h35 = 18.5
10h00 = 0.2
15h11 = 4.0
```

et retourne le dictionnaire correspondant. Remarquez à nouveau que, même si le fichier est trié par temps croissants, le dictionnaire ne l'est plus.

Ce fichier d'exemple est téléchargeable *via* la page web www.i3s.unice.fr/~bernot/Enseignement/GB3_Python1

Exercice 2 : Comprendre ce que fait la procédure très sommaire suivante, puis l'utiliser.

```
>>> def mkprofil (fich) :
...     t = "00h00"
...     f = open(fich,"w")
...     while len(t) == 5 :
...         v = input("Valeur au temps %s = " % t)
...         f.write("%s = %s\n" % (t,v))
...         t = input("Temps suivant = ")
...     f.close()
```

Critiquez l'ergonomie de cette procédure. Comment pourrait-on l'améliorer, en supposant par exemple que les mesures se font toutes les heures en partant du temps 00h00 ?

Exercice 3 : Écrivez la fonction `multichargement` qui prend en entrée le nom d'un fichier dont le contenu a une forme parfaitement normalisée comme la suivante :

```
01h00 = 0.5
02h45 = 1.55
05h00 = 2.5
07h35 = 18.5
10h00 = 0.2
15h11 = 4.0
```

```
00h00 = 8.2
05h28 = 14.5
06h14 = 0.5
10h00 = 0.4
11h55 = 0.3
24h00 = 0.2
48h30 = 0.1
```

```
01h00 = 10.5
02h45 = 11.55
05h00 = 12.5
07h35 = 28.2
10h00 = 10.2
15h11 = 34.5
```

et retourne la liste de dictionnaires correspondante. Par exemple ce fichier contient 3 profils d'expression : ils sont séparés par une ligne vide.

Exercice 4 : Ecrivez une procédure `mkmultiprofil` en s'inspirant d'un `mkprofil` amélioré. On supposera que tous les profils codés dans le fichier créé partagent exactement les mêmes horaires.

Fonctions sur les dictionnaires, encore...

On considère encore tout au long de ce TD des dictionnaires représentant des mesures réelles de (type `float`) faites à divers « temps » comptés en heures et minutes à partir d'un top de départ "00h00" et sur une durée totale ne pouvant pas dépasser "99h59". Par exemple :

```
{ "01h00":0.5 , "02h45":1.55 , "05h00":2.5 , "07h35":18.5 , "10h00":0.2 , "15h11":4.0 }
```

Ces mesures sont supposées être les niveaux de concentration d'une protéine tout au long d'une expérience. La chaîne de caractère représentant les temps sont normalisées comme dans l'exemple, de sorte que deux temps peuvent être comparés simplement comme des chaînes de caractères.

Exercice 1 : Écrivez la fonction `covariantes` qui prend en entrées deux dictionnaires représentant des mesures effectuées (*simultanément*) sur deux protéines différentes et retourne un booléen disant si elles augmentent et diminuent en même temps (sans pour autant avoir les mêmes mesures).

Une solution parmi d'autres :

```
def covariantes(d1,d2):
    v1 = listeVariations(d1)
    v2 = listeVariations(d2)
    i=0
    test= True
    while i<len(v1) and test:
        test = (v1[i]*v2[i]>0 or (v1[i]==0 and v2[i]==0))
        i=i+1
    return test
```

Écrivez maintenant la fonction `listeVariation` précédente qui prend en argument un dictionnaire et renvoie la liste des variations. Cette fonction appelle la fonction `horloge` et se base sur le resultat pour calculer les variations.

Exercice 2 : Écrivez la fonction `cluster` qui prend en entrées :

- d'une part, un dictionnaire `ref` pour une protéine,
 - et d'autre part, une liste de dictionnaires `l` représentant une liste de protéines mesurées simultanément avec la protéine de référence `ref`,
- et fournit en sortie la liste des protéines covariantes avec `ref`.

1 Gestion du système de fichiers avec le module `os`

L'objectif de ce TD est de tester sous Python les commandes du module `os` pendant l'explication de leurs fonctionnalités.

Un module tout à fait central dans tous les langages de programmation est celui qui permet de gérer le système de fichiers présent sur le disque dur de la machine. Son nom est `os` (en minuscules) comme *operating system* (*système d'exploitation* en français).

Avant d'utiliser `os` pour gérer le système de fichiers, il faut savoir :

- qu'il peut y avoir plusieurs disques dur sur un ordinateur, ou qu'un disque dur peut être partagé en plusieurs partitions. Sous Mac ou un système Unix comme Linux cette séparation des disques et des partitions est gérée pour qu'on ait l'impression de n'avoir qu'un seul disque. Sous Windows, ces partitions sont vues comme plusieurs « lecteurs » différents numérotés A, B, C, D, etc. En général A et B sont présents pour des raisons historiques et sont réservés à deux lecteurs de disquettes. Le disque C est généralement celui sur lequel le système Windows est installé et les suivants sont des disques de données ou des lecteurs/graveurs de CD, DVD, etc.
- Un disque est organisé en arbre avec des répertoires (directories en anglais) qui peuvent contenir des sous-arbres et des fichiers (files) qui contiennent les « vraies » données et sont nécessairement des feuilles de l'arbre.
- Un nœud de l'arbre est repéré par son chemin depuis la racine, qui est souvent appelé son adresse.
- On note généralement « .. » le répertoire père d'un répertoire.
- Compte tenu de la taille de cet arbre et de la longueur des chemins, et du fait qu'on travaille longtemps sous un même répertoire, il est pratique d'avoir un répertoire dit « courant ». Cela permet de ne donner que les adresses à partir du répertoire courant.

```
>>> import os
>>> os.getcwd()
'/home/bernot'
>>> os.chdir("foutoir")
>>> os.getcwd()
'/home/bernot/foutoir'
>>> os.chdir("dirTest")
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
OSError: [Errno 2] No such file or directory: 'dirTest'
>>> os.mkdir("dirTest")
>>> os.chdir("dirTest")
>>> os.chdir("..")
>>> os.getcwd()
'/home/bernot/foutoir'
>>> os.listdir('.')
['plan.jpg', 'oraux_membres_Jury.xls', 'dirTest']
```

Ce premier usage du module `os` met en évidence 4 premières fonctions ou procédures de ce module :

- `getcwd` retourne la chaîne de caractères du chemin de la racine au répertoire courant.
- `chdir` change le répertoire courant.
- `mkdir` fabrique un nouveau répertoire.
- `listdir` prend en argument un chemin et retourne la liste des noms de fichiers ou répertoires fils

Au passage, la variable `os.linesep` fournit la chaîne de caractère `"\n"` utilisée par le système d'exploitation sur lequel on est :

```
>>> os.linesep
'\n'
>>> print("toto%stutu" % os.linesep)
toto
tutu
```

Il s'agit d'une variable, non d'une fonction, d'où l'absence de parenthèses. On peut entre autres tester `len(os.linesep)`, ce qui facilite certaines gestions de fichier vues précédemment.

D'autres fonctions ou procédures utiles pour la gestion du système de fichiers sont :

- **rename** prend en argument les chemins source et cible : peut déplacer dans l'arbre, aussi bien un fichier qu'un sous-arbre complet
- **remove** prend en argument le chemin d'un fichier et le supprime
- **rmdir** comme **remove**, mais pour un répertoire vide

2 Système de fichiers, compléments du sous-module `os.path`

Le module `os` contient un « sous-module » `os.path` qui est automatiquement importé avec `os` et fournit d'autres fonctions bien utiles :

- **isfile** dit si le chemin pointe sur un fichier standard
- **isdir** ... si c'est un répertoire
- **islink** ... si c'est un lien symbolique (« raccourci » sous windows)
- **exists** dit si le chemin donné en argument existe (fonction booléenne)
- **getsize** taille en octets du fichier désigné par le chemin donné en argument
- **abspath** prend un chemin en entrée et retourne sa version en adresse absolue.
- **basename** fournit le dernier nom du chemin
- **dirname** le contraire

Durée = 2h30. Inscrivez **lisiblement** vos NOM et Prénom en tête de la copie double qui vous a été distribuée ; ensuite cachez le coin de la copie double ;

enfin inscrivez EN GROS CHIFFRES sur la copie double le numéro suivant :

nUmErO

VOUS DEVEZ INSCRIRE VOS RÉPONSES DIRECTEMENT SUR CETTE FEUILLE D'ÉNONCÉ, QUE VOUS PLACEREZ À L'INTÉRIEUR DE LA COPIE DOUBLE AVANT DE LA RENDRE.

Ordinateurs, téléphones et autres moyens de communication sont interdits.

Exercice 1 : En considérant la fonction ci-dessous : (1) quel doit être le type des variables d'entrée ? (2) quel est le type du résultat ? (3) quelle est la propriété remarquable de cette fonction ?

```
def glop (a,b) :
    c = a or b
    d = (not a) and (not b)
    return (c or d)
.
```

Exercice 2 : Quel est le résultat de l'expression « (5.0 / 2.0) - (5 // 2) » en Python, et quel est son type ?

Exercice 3 : Écrivez une procédure `salutation` qui demande son prénom à l'utilisateur et écrit à l'écran « Bonjour Gaston ! » si l'utilisateur a entré « Gaston », ou bien « Bonjour Eric ! » si l'utilisateur a entré « Eric », etc.

Exercice 4 : Écrivez une fonction `extraitGC` qui prend en argument une chaîne de caractères `b` supposée représenter un brin d'ADN et retourne la liste des morceaux de `b` qui ne contiennent que des G ou C.

Par exemple `extraitGC("ATGGCGTCGAAGTCCGA")` retourne `['GGCG', 'CG', 'G', 'CCG']`.

INDICATION : on teste chaque nucléotide du brin l'un après l'autre ; on pourra gérer de manière intermédiaire une variable de type chaîne de caractères qui accumule les G ou C successifs rencontrés, et l'ajouter à la liste quand on rencontre un autre nucléotide (A ou T). Indication complémentaire : évitez d'ajouter des chaînes vides dans la liste !

Les structures de données

Une structure de données est définie par quatre choses :

1. *Un type* qui est simplement un nom permettant de classifier les expressions syntaxiques relevant de cette structure de donnée.
2. *Un ensemble* qui définit avec précision quelles sont les *valeurs pertinentes* de ce type.
3. *La liste des opérations* que l'ordinateur peut utiliser pour effectuer des « calculs » sur les valeurs précédentes. Cela comprend le *nom* de l'opération et comment l'utiliser, c'est-à-dire quels types elle accepte en *arguments* et le type du *résultat*.
4. *La sémantique des opérations* c'est-à-dire une description précise du résultat fourni en fonction des arguments.

Il existe en Python une commande `type`, qui prend en argument une valeur ou une variable quelconque et fournit comme résultat le type de cette valeur.

La structure des booléens

1 Le type

Le nom du type des booléens est `bool`, du nom de George Boole [1815-1864] : mathématicien anglais qui s'est intéressé aux propriétés algébriques des valeurs de vérité.

2 L'ensemble des valeurs

Il s'agit d'un ensemble de seulement 2 données pertinentes, dites *valeurs de vérité* : `{True, False}`.

3 Les opérations

Opérations booléennes les plus courantes sont :

Opération	Entrée	Sortie
<code>not</code>	<code>bool</code>	<code>bool</code>
<code>and</code>	<code>bool×bool</code>	<code>bool</code>
<code>or</code>	<code>bool×bool</code>	<code>bool</code>

4 La sémantique des opérations

De manière similaire aux tables de multiplications, on écrit facilement les tables de ces fonctions puisque le type est fini (et petit).

<code>not</code>	<u>True</u>	<u>False</u>
	False	True

<code>and</code>	<u>True</u>	<u>False</u>
<u>True</u>	True	False
<u>False</u>	False	False

<code>or</code>	<u>True</u>	<u>False</u>
<u>True</u>	True	True
<u>False</u>	True	False

5 Exemples

Exemples de calculs sur les booléens :

```
>>> True or False
True
>>> true or false
Traceback (most recent call last):
  File "<stdin>", line 1, in <module>
NameError: name 'true' is not defined
>>> True and False
False
>>> not(True)
False
>>> type(True)
<type 'bool'>
>>> True and
  File "<stdin>", line 1
    True and
           ^
SyntaxError: invalid syntax
>>> True | False
True
>>> True & False
False
```

Comme on le voit :

- l'opération `type` écrit bien le type d'une donnée ;
 - « `|` » et « `&` » sont des raccourcis pour `or` et `and` respectivement ;
 - ces calculs ont peu d'intérêt en soi, mais deviennent indispensables lorsqu'on veut manipuler des conditions sur les types plus élaborés :
- ```
>>> if (5 > 2+3) or (8 == 2 ** 3) :
... print("OK!")
... else :
```

```
... print("Faux!")
...
OK!
```

# La structure des entiers relatifs

## 1 Le type

Le type est appelé `int` (comme « integers »).

## 2 L'ensemble des valeurs

Théoriquement le type `int` correspond à l'ensemble  $\mathbb{Z}$  des mathématiques. En fait il est borné en Python, avec borne dépendante de la machine, mais assez grande pour ignorer ce fait ici.

## 3 Les opérations

Les opérations les plus courantes sont :

| Opération |   |   |    |    |    | Entrée               | Sortie            |
|-----------|---|---|----|----|----|----------------------|-------------------|
| +         | - | * | // | %  | ** | <code>int×int</code> | <code>int</code>  |
| ==        | < | > | <= | >= | != | <code>int×int</code> | <code>bool</code> |

Les opérations `==` `<` `>` `<=` `>=` `!=` sont appelées *les comparaisons* et se retrouveront dans d'autres structures de données également.

## 4 La sémantique des opérations

Il s'agit respectivement des addition, soustraction, multiplication, division « euclidienne », modulo et puissance, qui sont habituelles sur les entiers relatifs. La division euclidienne fournit toujours un résultat entier (le quotient) et le modulo n'est autre que le reste de cette division.

Noter que la comparaison d'égalité se note `==` et non pas `=` pour ne pas la confondre avec l'affectation de variable en Python. Les comparaisons `<=` `>=` `!=` sont respectivement les versions accessibles au clavier de  $\leq$ ,  $\geq$  et  $\neq$ .

## 5 Exemples

Rien de bien compliqué :

```
>>> type(46)
<type 'int'>
>>> 5 * 7
35
>>> print(5 * 7)
35
>>> 5 // 2
2
>>> 5 % 2
1
>>> 5 ** 3
125
```

et les comparaisons :

```
>>> 5 < 3
False
>>> 5 == 3 + 2
True
>>> 5 = 3 + 2
File "<stdin>", line 1
SyntaxError: can't assign to literal
>>> 5 <= 5
True
```

# La structure des nombres réels

## 1 Le type

On dit aussi « les nombres flottants » et le nom du type est `float`.

## 2 L'ensemble des valeurs

`float` représente l'ensemble des nombres réels  $\mathbb{R}$ , avec cependant une précision limitée par la machine, mais les erreurs seront négligeables dans le cadre de ce cours.

## 3 Les opérations

| Opération          | Entrée                   | Sortie             |
|--------------------|--------------------------|--------------------|
| + - * / **         | <code>float×float</code> | <code>float</code> |
| <code>int</code>   | <code>float</code>       | <code>int</code>   |
| <code>float</code> | <code>int</code>         | <code>float</code> |
| == < > <= >= !=    | <code>float×float</code> | <code>bool</code>  |

Les opérations les plus courantes sont :

## 4 La sémantique des opérations

Ce sont les opérations habituelles, avec cette fois une division exacte et donc pas de modulo puisqu'il n'y a pas de reste.

## 5 Exemples

```
>>> type(46.8)
<type 'float'>
>>> 5.0 / 2.0
2.5
>>> 7.5 * 2
15.0
>>> int(7.5 * 2)
15
>>> int(7.75)
7
>>> float(3)
3.0
```

Noter la différence entre `/` et `//`.

# La structure des chaînes de caractères

## 1 Le type

Le type des chaînes de caractères est appelé `str` en Python (et `string` dans presque tous les autres langages de programmation).

## 2 L'ensemble des valeurs

Il existe 256 « *caractères* » qui couvrent à peu près tout ce que l'on peut taper au clavier en une fois, Une *chaîne de caractères*, comme son nom l'indique, est une suite de caractères (de longueur aussi grande que nécessaire, avec les limitations habituelles d'occupation mémoire qui ne seront pas atteintes dans le cadre de ce cours).

Une chaîne de caractères doit être délimitée par des guillemets comme dans `"toto"`.

## 3 Les opérations

Les opérations les plus simples sont :

| Opération                                | Entrée               | Sortie            |
|------------------------------------------|----------------------|-------------------|
| <code>+ %</code>                         | <code>str×str</code> | <code>str</code>  |
| <code>len</code>                         | <code>str</code>     | <code>int</code>  |
| <code>== &lt; &gt; &lt;= &gt;= !=</code> | <code>str×str</code> | <code>bool</code> |

Plus généralement, l'opération `%`

peut avoir plusieurs types d'entrées; voir ci-dessous.

## 4 La sémantique des opérations

Le `+` dénote la concaténation (mise bout à bout) des chaînes de caractères; `len` est la longueur (c'est-à-dire le nombre de caractères) d'une chaîne; les comparaisons sont les comparaisons alphabétiques inspirées de celles d'un dictionnaire français ou anglais, sachant que les chiffres et ponctuations viennent avant les lettres, et que les majuscules viennent avant les minuscules.

« `%` » est l'opération de *substitution*. Si la chaîne de caractères  $s_0$  contient « `%s` » et si  $s_1$  est une autre chaîne de caractères, alors  $s_0 \% s_1$  est la chaîne obtenue en remplaçant dans  $s_0$  les deux caractères `%s` par la chaîne  $s_1$ .

S'il y a plusieurs « `%s` », il faut mettre entre parenthèses autant de chaînes ( $s_1, \dots, s_n$ ) après l'opération `%`.

S'il y a un « `%d` » au lieu de « `%s` » il faut mettre un entier relatif à la place d'une chaîne (`d` comme décimal et `s` comme string).

S'il y a un « `%f` » (`f` comme float) il faut mettre un nombre réel. On peut imposer le nombre de chiffres après la virgule : « `%.4f` » par exemple limite la précision à 4 chiffres après la virgule.

L'opération de substitution `%` admet d'autres types de substitutions; celles-ci sont les plus utiles.

## 5 Exemples

```
>>> "toto" + "tutu"
'tototutu'
>>> len("toto")
4
>>> "toto" < "tutu"
True
>>> "ab" < "aab"
False
>>> "a b" == "ab"
False
```

Noter l'absence d'espace entre `"toto"` et `"tutu"` après concaténation.

Et pour la substitution :

```
>>> "bonjour %s ; il faut beau aujourd'hui." % "Pierre Dupond"
"bonjour Pierre Dupond ; il faut beau aujourd'hui."
>>> nom = "Dupond"
```

```
>>> prenom="Pierre"
>>> genre = "homme"
>>> "Ce %s s'appelle %s et c'est un %s" % (prenom,nom,genre)
"Ce Pierre s'appelle Dupond et c'est un homme"
>>> age = 41
>>> "%s %s a %d ans." % (prenom,nom,age)
'Pierre Dupond a 41 ans.'
>>> "%s %s mesure %fm." % (prenom,nom,1.85)
'Pierre Dupond mesure 1.850000m.'
>>> "%s %s mesure %.2fm." % (prenom,nom,1.85)
'Pierre Dupond mesure 1.85m.'
```